

MATERIAL SUPLEMENTARIO

Líneas de búsqueda para las bases de datos incluidas en el estudio.

PubMed

(Ecuador[Mesh] OR Ecuador[tiab]) AND (Diagnosis[Mesh] OR Diagnostic Techniques and Procedures[Mesh] OR Microbiological Techniques[Mesh] OR Molecular Diagnostic Techniques[Mesh] OR Nucleic Acid Amplification Techniques[Mesh] OR Serologic Tests[Mesh] OR Microscopy[Mesh] OR diagnos*[tiab] OR detect*[tiab] OR screen*[tiab] OR test*[tiab] OR assay[tiab] OR assays[tiab] OR microscopy[tiab] OR stain*[tiab] OR smear*[tiab] OR culture[tiab] OR "antigen test"[tiab] OR "antibody test"[tiab] OR serolog*[tiab] OR immunoassay*[tiab] OR ELISA[tiab] OR immunofluorescen*[tiab] OR "western blot"[tiab] OR PCR[tiab] OR "polymerase chain reaction"[tiab] OR qPCR[tiab] OR "real-time PCR"[tiab] OR RT-PCR[tiab] OR "nested PCR"[tiab] OR LAMP[tiab] OR "isothermal amplification"[tiab] OR sequencing[tiab] OR "next-generation sequencing"[tiab] OR NGS[tiab] OR nanopore[tiab] OR MinION[tiab] OR amplicon[tiab] OR "amplicon sequencing"[tiab] OR metabarcoding[tiab] OR metagenom*[tiab] OR "deep sequencing"[tiab] OR "high-throughput sequencing"[tiab] OR prevalence[tiab] OR incidence[tiab] OR "risk factor"[tiab] OR "molecular epidemiology"[tiab] OR "population genetic"[tiab] OR phylogeograph*[tiab] OR "genomic epidemiology"[tiab] OR Case Reports[Publication Type] OR protocol[tiab] OR "study protocol"[tiab]) AND (Protozoan Infections[Mesh] OR Apicomplexa[Mesh] OR Kinetoplastida[Mesh] OR Piroplasmia[Mesh] OR protozoa[tiab] OR protozoan[tiab] OR protozoal[tiab] OR hemoprotozo*[tiab] OR haemoprotozo*[tiab] OR hemoparasit*[tiab] OR haemoparasit*[tiab] OR endoparasit*[tiab] OR parasit*[tiab] OR apicomplex*[tiab] OR kinetoplast*[tiab] OR haemospor*[tiab] OR coccid*[tiab] OR piroplasm*[tiab] OR Vector-Borne Diseases[Mesh] OR Tick-Borne Diseases[Mesh] OR Ticks[Mesh] OR tick*[tiab] OR enteropathogen*[tiab] OR "enteric infection"[tiab] OR "enteroparasite"[tiab] OR malaria[tiab] OR babesiosis[tiab] OR trypanosomiasis[tiab] OR leishmaniasis[tiab] OR toxoplasmosis[tiab] OR giardiasis[tiab] OR amebiasis[tiab] OR cryptosporidiosis[tiab] OR coccidiosis[tiab] OR trichomoniasis[tiab] OR "sexually transmitted infection"[tiab] OR "sexually transmitted disease"[tiab] OR STI[tiab] OR STIs[tiab] OR STD[tiab] OR STDs[tiab]) AND ("2016/01/01"[Date - Publication] : "2023/12/31"[Date - Publication])

SCIELO

(Ecuador) AND (Diagnosis OR Diagnóstico OR Diagnostico OR "Diagnostic Techniques" OR "Técnicas Diagnósticas" OR "Tecnicas Diagnosticas" OR "Molecular Diagnostic" OR "Diagnóstico Molecular" OR "Diagnostico Molecular" OR "Microbiological Techniques" OR "Técnicas Microbiológicas" OR "Tecnicas Microbiologicas" OR "Nucleic Acid Amplification" OR "Amplificación de Ácidos Nucleicos" OR "Amplificacao de Acidos Nucleicos" OR "Serologic Tests" OR "Pruebas Serológicas" OR "Pruebas Serologicas" OR "Testes Sorológicos" OR Microscopy OR Microscopía OR Microscopia OR diagnos* OR detect* OR detectar* OR screen* OR tamizaje OR rastreo OR rastreio OR test* OR ensayo* OR ensaio* OR assay OR assays OR stain* OR tinción OR tincion OR coloración OR coloracion OR coloração OR smear* OR frotis OR "gota gruesa" OR "gota espesa" OR "gota espessa" OR culture OR cultivo OR "antigen test*" OR "prueba de antígeno" OR "teste de antígeno" OR "antibody test*" OR "prueba de anticuerpos" OR "teste de anticorpos" OR serolog* OR

inmunoensayo* OR imunoensaio* OR immunoassay* OR ELISA OR immunofluorescen* OR immunofluoresc* OR imunofluoresc* OR "western blot" OR PCR OR "polymerase chain reaction" OR "reacción en cadena de la polimerasa" OR "reaccion en cadena de la polimerasa" OR "reacao em cadeia da polimerase" OR qPCR OR "real-time PCR" OR "PCR en tiempo real" OR "PCR em tempo real" OR RT-PCR OR "nested PCR" OR "PCR anidada" OR LAMP OR "isothermal amplification" OR "amplificación isotérmica" OR "amplificacao isotermica" OR sequencing OR secuenciación OR sequenciamento OR "next-generation sequencing" OR "secuenciación de próxima generación" OR "sequenciamento de nova geração" OR NGS OR nanopore OR MinION OR amplicon OR amplicón OR "amplicon sequencing" OR "sequenciamento de amplicon" OR metabarcoding OR metagenom* OR metagenóm* OR metagenôm* OR "deep sequencing" OR "secuenciación profunda" OR "sequenciamento profundo" OR "high-throughput sequencing" OR "alto rendimiento" OR "alto rendimento" OR prevalence OR prevalencia OR prevalência OR incidence OR incidencia OR "risk factor*" OR "factores de riesgo" OR "fatores de risco" OR "molecular epidemiology" OR "epidemiología molecular" OR "epidemiologia molecular" OR "population genetic*" OR "genética poblacional" OR "genetica poblacional" OR "genética de poblaciones" OR "genetica de populações" OR "genetica de populacoes" OR phylogeograph* OR filogeograf* OR protocol OR "study protocol" OR "protocolo de estudio" OR "protocolo de estudo" OR "case report" OR "case reports" OR "reporte de caso" OR "relato de caso") AND ("Protozoan infections" OR "Infecciones por protozoos" OR "Infecções por protozoários" OR protozoa OR protozoos OR protozoários OR protozoan OR protozoal OR hemoprotozo* OR hemoparásit* OR hemoparasit* OR hemoparasita* OR endoparásit* OR endoparasit* OR parasit* OR parásit* OR apicomplex* OR apicomplejo OR apicomplexos OR kinetoplast* OR haemospor* OR hemospor* OR coccid* OR piroplasm* OR "vector-borne" OR "tick-borne" OR "transmitidas por vectores" OR "doenças transmitidas por vetores" OR tick* OR garrapata* OR carrapato* OR enteropathogen* OR enteropatógen* OR enteropatogên* OR "enteric infection*" OR "infecciones entéricas" OR "infecções entéricas" OR "enteroparasite*" OR enteroparásit* OR enteroparasit* OR malaria OR malária OR babesiosis OR babesiose OR trypanosomiasis OR tripanosomíase OR leishmaniasis OR leishmaniose OR toxoplasmosis OR toxoplasmose OR giardiasis OR giardiase OR amebiasis OR amebíase OR cryptosporidiosis OR criptosporidiose OR coccidiosis OR coccidiose OR trichomoniasis OR tricomoníase OR "sexually transmitted infection*" OR "sexually transmitted disease*" OR "infecciones de transmisión sexual" OR "infecções sexualmente transmissíveis" OR ITS OR ETS OR IST OR DST OR STI OR STIs OR STD OR STDs)

SCOPUS

TITLE-ABS-KEY(Ecuador) AND TITLE-ABS-KEY(diagnos* OR detect* OR screen* OR test* OR assay OR assays OR microscopy OR stain* OR smear* OR culture OR (antigen W/1 test*) OR (antibody W/1 test*) OR serolog* OR immunoassay* OR ELISA OR immunofluorescen* OR "western blot" OR PCR OR "polymerase chain reaction" OR qPCR OR "real time PCR" OR "real-time PCR" OR RT-PCR OR "nested PCR" OR LAMP OR "isothermal amplification" OR sequencing OR "amplicon sequencing" OR nanopore OR MinION OR NGS OR "next-generation sequencing" OR "next generation sequencing" OR metabarcoding OR metagenom* OR "deep sequencing" OR "high-throughput sequencing" OR "high throughput sequencing" OR prevalence OR incidence OR (risk W/1 factor*) OR

"molecular epidemiology" OR (population W/1 genetic*) OR phylogeograph* OR "genomic epidemiology" OR protocol OR "study protocol" OR "case report" OR "case reports") AND TITLE-ABS-KEY("protozoan infections" OR protozoa OR protozoan OR protozoal OR hemoprotozo* OR hemoparasit* OR endoparasit* OR parasit* OR apicomplex* OR kinetoplast* OR haemospor* OR coccid* OR piroplasm* OR "vector-borne" OR "tick-borne" OR tick* OR enteropathogen* OR (enteric W/1 infection*) OR enteroparasite* OR malaria OR babesiosis OR trypanosomiasis OR leishmaniasis OR toxoplasmosis OR giardiasis OR amebiasis OR cryptosporidiosis OR coccidiosis OR trichomoniasis OR (sexually W/1 transmitted W/1 infection*) OR (sexually W/1 transmitted W/1 disease*) OR STI OR STIs OR STD OR STDs) AND (PUBYEAR > 2015 AND PUBYEAR < 2024)

Tabla suplementaria 1. Resumen de los estudios publicados en bases de datos indexadas sobre la detección de agentes infecciosos protozoarios

Nombre del Artículo	Año	Objetivo del Estudio	Protozooario estudiado	Procedencia geográfica de las muestras	Tipo de Muestras	Hospedador	Herramientas de laboratorio	Principales resultados
Parasite specialization in a unique habitat: hummingbirds as reservoirs of generalist blood parasites of Andean birds.	2016	Determinar los linajes de hemosporidios que colonizan a los colibríes andinos.	<i>Haemoproteus</i> spp. y <i>Plasmodium</i> spp.	Parque Nacional Podocarpus, Andes del sur de Ecuador, Loja.	Sangre.	Aves, Colibríes.	Microscopía de frotis teñidos con Giemsa, PCR anidada, secuenciación y qPCR.	Se detectaron 4 linajes de <i>Haemoproteus</i> en colibríes. Gametocitos de <i>H. witti</i> se observaron solo en colibríes.
Resource predictability and specialization in avian malaria parasites.	2016	Evaluar si características del hospedador (abundancia, masa corporal y longevidad) se asocian con la especialización de Hemosporidios aviares.	<i>Haemoproteus</i> spp. y <i>Plasmodium</i> spp.	Tiputini, Orellana.	Sangre.	Aves, paseriformes no migratorias.	PCR/secuenciación de cit b.	Los hospedadores de especialistas fueron en promedio más abundantes que los de generalistas. Asociación positiva entre especialización y longevidad aparente del hospedador para uno de los índices (DSI).
Atypical challenging and first case report of babesiosis in Ecuador.	2016	Reportar el primer caso humano de babesiosis en Ecuador y diferenciarlo de la malaria.	<i>Babesia microti</i> .	Ecuador.	Sangre.	Humano.	PCR, frotis de sangre periférica.	Diagnóstico de <i>Babesia microti</i> confirmado mediante PCR después de una presentación inicial que sugería malaria, debido a síntomas

								similares. Primer caso reportado en Ecuador.
Detection of Zoonotic Enteropathogens in Children and Domestic Animals in a Semirural Community in Ecuador.	2016	Investigar la prevalencia de enteropatógenos zoonóticos en niños y animales domésticos en una comunidad semirural de Ecuador.	<i>Giardia lamblia</i> .	Comunidad semirural cerca de Quito (Pichincha).	Heces.	Humano.	Tipificación por secuencias multilocus (MLST), PCR, cultivos bacterianos.	<i>Campylobacter jejuni</i> fue el patógeno más prevalente. Se evidenció transmisión zoonótica entre animales domésticos y humanos. <i>Giardia lamblia</i> también mostró alta prevalencia en niños.
Diagnostic Efficacy of Molecular Techniques for Detection and Identification of <i>Leishmania</i> Species in Human Whole Blood and Skin Samples from Ecuador.	2016	Comparar la eficacia diagnóstica de la microscopía tradicional con técnicas basadas en PCR para detectar <i>Leishmania</i> en sangre y muestras de piel.	<i>Leishmania guyanensis</i> , <i>Leishmania shawi</i> y <i>Leishmania naiffi</i> .	Quito (Pichincha), la zona rural endémica de Pedro Vicente Maldonado.	Sangre y muestras de lesiones cutáneas.	Humano.	PCR, secuenciación de genes 18S rRNA y citocromo b, análisis microscópico.	La PCR tuvo mayor sensibilidad que la microscopía. Identificación de especies de <i>Leishmania</i> mediante secuenciación. Confirmación de presencia de <i>L. guyanensis</i> , <i>L. shawi</i> y <i>L. naiffi</i> .

First Human Cases of <i>Leishmania (Viannia) lainsoni</i> Infection and a Search for the Vector Sand Flies in Ecuador.	2016	Realizar un estudio epidemiológico de la leishmaniasis en áreas amazónicas de Ecuador, identificando especies de <i>Leishmania</i> en humanos y evaluando flebótomos como potenciales vectores.	<i>Leishmania (Viannia) lainsoni</i> , <i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> y <i>Leishmania (Viannia) braziliensis</i> .	Sucumbíos y Orellana.	Muestras de lesiones cutáneas en forma de frotis y FTA cards.	Humano.	PCR, análisis del gen del citocromo b, secuenciación del gen hsp70.	Identificación de los primeros casos humanos de infección por <i>L. (V.) lainsoni</i> en Ecuador. Se identificaron otras especies como <i>L. (V.) guyanensis</i> y <i>L. (V.) braziliensis</i> . No se detectó <i>L. (V.) lainsoni</i> en flebótomos capturados.
Geographic Distribution of <i>Leishmania</i> Species in Ecuador Based on the Cytochrome b Gene Sequence Analysis.	2016	Realizar un estudio epidemiológico nacional para determinar la distribución geográfica actual de las especies de <i>Leishmania</i> que causan leishmaniasis cutánea (CL).	<i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> , <i>Leishmania (Viannia) braziliensis</i> , <i>Leishmania (Viannia) naiffi</i> , <i>Leishmania (Viannia) lainsoni</i> y <i>Leishmania (Leishmania) mexicana</i> .	16 provincias de Ecuador, incluyendo áreas de la costa del Pacífico, los Andes y la Amazonía.	Muestras de lesiones cutáneas en FTA cards y frotis teñidos con Giemsa.	Humano.	PCR, secuenciación del gen del citocromo b, análisis filogenético.	Identificación de cinco especies de <i>Leishmania</i> en muestras humanas en 16 provincias. <i>L. (V.) guyanensis</i> y <i>L. (V.) braziliensis</i> fueron dominantes. Se confirmó la distribución de <i>L. (V.) naiffi</i> y <i>L. (V.) lainsoni</i> en áreas amazónicas, mientras que <i>L. (L.) mexicana</i> se identificó en la región andina.

Molecular epidemiology of <i>Trypanosoma cruzi</i> and <i>Triatoma dimidiata</i> in coastal Ecuador.	2016	Investigar la ecología molecular de <i>Triatoma dimidiata</i> y <i>Trypanosoma cruzi</i> en la costa de Ecuador, incluyendo el análisis genético de los vectores y caracterización de infecciones por <i>T. cruzi</i> .	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Provincia de Guayas.	Triatomino s y heces de triatominos .	Insectos (<i>Triatoma dimidiata</i>).	Genotipado mediante marcadores de ITS-2, observación microscópica, PCR multiplex, análisis de secuencia de genes.	Confirmación de la introducción de <i>T. dimidiata</i> desde Centroamérica. Se detectó una alta tasa de infección por <i>T. cruzi</i> (54%) en <i>T. dimidiata</i> . Identificación de genotipos TcI (TcIa y TcId) en las muestras. No se detectó <i>T. rangeli</i> .
Coinfection of <i>Leishmania guyanensis</i> and Human Immunodeficiency Virus–Acquired Immune Deficiency Syndrome.	2017	Describir el primer caso de coinfección de VIH y <i>Leishmania guyanensis</i> en Ecuador, los desafíos en el tratamiento y las implicaciones clínicas.	<i>Leishmania guyanensis</i> .	Quito (Pichincha).	Lesiones cutáneas y biopsias.	Humano.	Microscopía, secuenciación del gen citocromo b.	El paciente mostró resistencia al tratamiento con antimonio de meglumina y anfotericina B. Falleció por shock séptico bacteriano.
Diarrea aguda por parasitosis intestinal en niños de 5 a 10 años de edad de la etnia shuar en una comunidad indígena	2017	Evaluar la incidencia y determinantes de diarrea aguda infecciosa en niños de 5-10 años de la comunidad Shuar Cumbatza.	<i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Giardia lamblia</i> .	Cumbatza, parroquia Huambi, cantón Sucúa, Morona Santiago, Ecuador.	Heces	Humano.	Examen coproparasitario (microscopía) y bacteriológico.	Prevalencia de diarrea aguda: 21,1%. Parasitismo: 100% de los niños con algún parásito; más frecuentes <i>E. histolytica</i> y <i>Ascaris lumbricoides</i> ; también se reportan <i>Giardia</i> y

amazónica del Ecuador.								combinaciones. Principal factor encontrado (OR, univariante): Falta de lavado de manos antes de comer (17,37).
Comparison of Cytokine Responses in Ecuadorian Children Infected with Giardia, Ascaris, or Both Parasites.	2017	Comparar el perfil de citocinas Th1/Th2 en niños con Giardia, Ascaris o coinfección, confirmadas por qPCR, versus no infectados.	<i>Giardia lamblia</i> (con coinfección por <i>Ascaris lumbricoides</i>).	Quinindé, Esmeraldas (Ecuador).	Heces (qPCR) y sangre/plasma.	Humano.	qPCR específica; Bio-Plex Pro Human Th1/Th2 en Luminex Magpix; hsCRP ELISA; microscopía coproparasitaria.	Coinfectados (<i>Ascaris</i> más <i>Giardia</i>) con Th1 (IL-2, IL-12, TNF- α) vs <i>Giardia</i> solo (P < 0.05). IL-10/IFN- γ en coinfectados vs no infectados y <i>Ascaris</i> solo (P < 0.05) \rightarrow polarización Th2.
Diagnóstico de los hemotrópicos <i>Anaplasma marginale</i> , <i>Trypanosoma</i> spp. y <i>Babesia</i> spp. mediante las técnicas de ELISAI y PCR en tres fincas ganaderas de la provincia de Pastaza, Ecuador.	2017	Determinar la presencia de hemotrópicos (anaplasmosis, tripanosomosis y babesiosis) en Pastaza.	<i>Trypanosoma</i> spp., <i>Babesia</i> spp.	Parroquia Santa Clara, provincia de Pastaza.	Sangre.	Ganado bovino.	ELISA indirecto (ELISAI) para <i>Trypanosoma</i> spp. PCR para <i>Babesia</i> spp.	<i>Trypanosoma</i> spp.: seroprevalencia 41,4%. <i>Babesia</i> spp. (PCR): 2% positivas.

Distribution of triatomine species in domestic and peridomestic environments in central coastal Ecuador.	2017	Describir la infestación por triatominos en Manabí, estimar la infección por trypanosomas y evaluar factores de riesgo.	<i>Trypanosoma cruzi</i> y <i>Trypanosoma rangeli</i> .	Provincia de Manabí.	Triatominos (contenido intestinal/heces).	Insectos (triatominos).	Microscopía y PCR.	Viviendas infestadas: 4,5% (95/2.097); colonización: 76,8%; 1.380 triatominos vivos recolectados. Infección por <i>T. cruzi</i> (PCR): 42% (n=372); <i>T. rangeli</i> : ~9–10%. Factores de riesgo de infestación por <i>R. ecuadoriensis</i> : zona ecológica (w=0,99) y presencia de gallinas (w=0,96) como principales.
From Galapagos doves to passerines: Spillover of Haemoproteus multipigmentatus.	2017	Determinar la presencia de <i>H. multipigmentatus</i> en aves de Galápagos.	<i>Haemoproteus (Haemoproteus) multipigmentatus</i> .	Islas Santa Cruz, Isabela y Santiago, Galápagos.	Sangre.	Aves.	PCR anidada del cit b, secuenciación y microscopía.	Passeriformes 58/507 (11%) fueron PCR positivos para <i>H. multipigmentatus</i> , sin gametocitos en frotis. Palomas: 31/31 positivas, con gametocitos.
Gastrointestinal parasites in captive and free-ranging <i>Cebus albifrons</i> in the Western Amazon, Ecuador.	2017	Evaluar presencia, prevalencia de huevos/quistes de parásitos en <i>Cebus albifrons</i> cautivos y de vida libre.	<i>Entamoeba histolytica/dispar/moskovskii/nuttalli</i> .	Misahuallí (Tena, Napo) y Puyo (Pastaza).	Heces.	<i>Cebus albifrons</i>	Microscopía (100–400×), recuento de huevos/quistes.	Prevalencia global: 84% (22/26). Géneros detectados: <i>Strongyloides</i> (76,9%), <i>Hymenolepis</i> (38,5%), strongílidos no identificados (34,6%), <i>Prosthenorchis elegans</i> (11,5%), <i>Capillaria</i> (3,8%) y <i>Entamoeba</i>

								<i>histolytica/dispar/moskovskii/nuttalli</i> (3,8%).
Parasitismo gastrointestinal y utilidad del Sistema FAMACHA® en caprinos de la provincia de Loja, Ecuador.	2017	Registrar el parasitismo gastrointestinal en caprinos de Garza Real (Zapotillo, Loja) y evaluar la utilidad del sistema FAMACHA®.	<i>Eimeria</i> spp.	Garza Real, cantón Zapotillo, provincia de Loja.	Heces.	Caprino (Capra hircus).	Flotación con solución de azúcar (densidad 1.20), método modificado de McMaster, coprocultivo y conteo diferencial.	62/77 (~80.5%) positivas a parásitos gastrointestinales. Se detectaron ooquistes de <i>Eimeria</i> por flotación. Alta infección en 4/7 granjas.
Aspectos eco-epidemiológicos, detección natural e identificación molecular de <i>Leishmania</i> spp. en <i>Lutzomyia reburra</i> , <i>Lutzomyia barrettoii</i> y <i>Lutzomyia trapidoi</i> .	2017	Evaluar la infección natural por <i>Leishmania</i> en flebotómicos de tres especies en el noroccidente de Pichincha, Ecuador, y analizar su papel en la transmisión de la enfermedad.	<i>Leishmania amazonensis</i> , <i>Leishmania braziliensis</i> y <i>Leishmania naiffi-lainsoni</i> .	Noroccidente de Pichincha, Ecuador (Milpe, Masphi, Pedro Vicente Maldonado, Puerto Rico y La Isla).	Flebotomín eos.	Insectos.	PCR, secuenciación de ITS-1, genes de topoisomerasas.	Se detectó la infección natural por <i>Leishmania</i> en las tres especies de flebotómicos con la predominancia de <i>L. amazonensis</i> y su presencia en múltiples localidades. Se identificaron diferencias significativas en la infección por especie y ubicación geográfica.

Malaria epidemiology in low-endemicity areas of the northern coast of Ecuador: high prevalence of asymptomatic infections.	2017	Evaluar la prevalencia de infecciones asintomáticas de malaria y las prácticas comunitarias en áreas de baja endemicidad en la costa norte de Ecuador.	<i>Plasmodium falciparum</i> y <i>Plasmodium vivax</i> .	Provincia de Esmeraldas, Ecuador (El Pedregal, Ricaurte, La Boca y El Guadual).	Sangre.	Humano.	PCR en tiempo real, frotis de sangre, ELISA, inmunofluorescencia.	La prevalencia de malaria asintomática fue del 7.5% mediante PCR, con predominancia de <i>P. vivax</i> . La mayoría de infecciones fueron asintomáticas. El estudio sugiere que, para la eliminación de la malaria en Ecuador, es necesario mejorar el diagnóstico y la detección activa de casos.
Molecular Identification of <i>Leishmania</i> spp. in Sand Flies (Diptera: <i>Psychodidae</i> , <i>Phlebotominae</i>) from Ecuador.	2017	Identificar especies de <i>Leishmania</i> en flebotómicos naturalmente infectados recolectados en focos endémicos de leishmaniasis en Ecuador para evaluar la dinámica de transmisión.	<i>Leishmania major-like</i> , <i>Leishmania naiffi</i> , <i>Leishmania mexicana</i> , <i>Leishmania lainsoni</i> y <i>Leishmania</i> sp. <i>siamensis</i> .	Nueve localidades en la cuenca del Pacífico y la Amazonía de Ecuador.	Flebotómicos.	Insectos.	PCR (secuencias ITS1), secuenciación, análisis filogenético.	El estudio confirmó la presencia de infecciones naturales por <i>Leishmania</i> en varias especies de flebotómicos en zonas de riesgo.

Case report: disseminated cutaneous leishmaniasis (LCD).	2017	Describir un caso de leishmaniasis cutánea diseminada en una mujer inmunocompetente en Ecuador, diferenciando esta presentación de otras formas de leishmaniasis cutánea y evaluando los desafíos diagnósticos y terapéuticos asociados.	<i>Leishmania</i> spp.	Quito (Pichincha).	Lesiones cutáneas.	Humano.	Análisis histopatológico, microscopía de frotis y biopsias.	Dificultad para tratar la leishmaniasis cutánea diseminada, especialmente en pacientes inmunocompetentes. La paciente presentó recaídas tras el tratamiento inicial y requería terapias alternativas.
Chagas Disease in Southern Coastal Ecuador: Coinfections with Arboviruses and a Comparison of Serological Assays for Chagas Disease Diagnosis.	2018	Investigar la coinfección de la enfermedad de Chagas con arbovirus (dengue, chikungunya y Zika) y comparar varios ensayos serológicos para el diagnóstico de la enfermedad de Chagas en la ciudad de Machala, Ecuador.	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Machala, provincia de El Oro.	Suero (sangre).	Humano.	ELISA, RT-PCR, pruebas serológicas (TESA blot, Hemagen Chagas ELISA kit, Chagatest ELISA), Chagas Detect Plus (CDP).	De 658 muestras, 0.9% fueron positivas para <i>T. cruzi</i> , incluyendo casos de coinfección con dengue y chikungunya. Discrepancias en los resultados de algunos ensayos diagnósticos resaltaron la necesidad de evaluar su precisión en diferentes regiones geográficas. El estudio concluyó la importancia de comprender las coinfecciones y ajustar los

								métodos diagnósticos para mejorar la detección.
Burden of exposure to infectious bursal disease virus, infectious bronchitis virus, Newcastle disease virus, <i>Mycoplasma gallisepticum</i> , and intestinal parasites in introduced broiler chickens on the Galapagos.	2018	Medir la carga de exposición a IBDV, IBV, NDV, MG y parásitos intestinales en pollos de engorde de 13 granjas de Galápagos.	<i>Eimeria</i> spp.	Islas Santa Cruz y San Cristóbal, Galápagos.	Heces y muestras ambientales de corral.	Aves y Ambiental.	ELISA IDEXX, flotación con Sheather y microscopía.	<i>Eimeria</i> spp. fue común (positiva en 8/13 granjas considerando heces/corral). Observada interacción entre pollos y aves silvestres dentro de corrales y aves de traspatio en las fincas, con implicaciones de bioseguridad.

Genetic Variability of <i>Plasmodium vivax</i> in the North Coast of Peru and the Ecuadorian Amazon Basin.	2018	Comparar la variabilidad genética y estructura poblacional de <i>P. vivax</i> entre Piura/Tumbes (Perú) y Pastaza (Ecuador).	<i>Plasmodium vivax</i> .	Pastaza.	Suero.	Humano.	PCR (microsatélites) y secuenciación.	Diversidad genética: Alta en Pastaza ($He = 0.43-0.70$) vs baja en Piura/Tumbes ($He = 0-0.3$; Piura monomórfico). Haplotipos/estructura: 18 haplotipos (15 en Pastaza). $K = 3$ poblaciones (dos en PNC, una en Pastaza).
Avian haemosporidian infections in rufous-collared sparrows in an Andean dry forest: diversity and factors related to prevalence and parasitaemia.	2018	Identificar linajes y morfoespecies de haemosporidios en <i>Zonotrichia capensis</i> , estimar prevalencia.	<i>Haemosporidia</i> y <i>Plasmodium</i> .	Bosque Protector Jerusalén, Guayllabamba, Pichincha.	Sangre.	Aves (Gorrión).	PCR del gen <i>cit b</i> y secuenciación.	n=177 analizados por PCR; prevalencia total 76.3% (IC95% 69.26–82.04). Por linaje: <i>Haemoproteus</i> sp.1 (ZC1) 51.4%, <i>Plasmodium homopolare</i> 20.9%, <i>P. cathemerium</i> 3.4%. Parasitemia media: 84.1/10 000 eritrocitos (IC95% 63.19–114.25). Más infección con mayor precipitación. Adultos > subadultos. Sitio 2 presentó menor infección y parasitemia.

Leishmaniasis caused by <i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> in north-central Pacific region of Ecuador: A clinico-epidemiological feature.	2018	Investigar las características clínicas y epidemiológicas de las infecciones por <i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> en el distrito Valle Hermoso, provincia de Santo Domingo de Los Tsáchilas, Ecuador, durante un periodo de cuatro años (2014-2017).	<i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> .	Valle Hermoso, provincia de Santo Domingo de Los Tsáchilas.	Lesiones cutáneas.	Humano.	PCR (amplificación del gen del citocromo b), microscopía de frotis.	Todos los casos confirmados fueron positivos para <i>L. (V.) guyanensis</i> . La mayoría de los pacientes presentó lesiones cutáneas simples, con una distribución predominante en las extremidades superiores y la cara. Un porcentaje significativo de casos ocurrió en niños menores de 10 años, sugiriendo transmisión intra- o peridoméstica.
Colonic perforation due to amebiasis, a rare and lethal complication.	2018	Presentar el caso de una paciente ecuatoriana con perforación colónica causada por <i>Entamoeba histolytica</i> .	<i>Entamoeba histolytica</i> .	Quito.	Tejido colónico y fluidos intraabdominales.	Humano.	Examen histopatológico, colonoscopia, análisis de fluidos, cirugía de emergencia.	El diagnóstico fue perforación colónica secundaria a colitis amebiana necrosante. La paciente se sometió a una colectomía total, pero, a pesar de la intervención quirúrgica y el manejo en cuidados intensivos, falleció debido a complicaciones asociadas al shock séptico y fallo multiorgánico.

Parasitismo intestinal en escolares de la Unidad Educativa del Milenio. Cantón Penipe, Ecuador.	2018	Caracterizar el parasitismo intestinal en una población de 382 escolares de la Unidad Educativa del Milenio, Cantón Penipe,, analizando la prevalencia y los factores relacionados con enteroparasitosis.	<i>Entamoeba coli</i> y <i>Entamoeba histolytica</i> .	Cantón Penipe (Chimborazo).	Heces.	Humano.	Exámenes coproparasitarios, análisis de laboratorio clínico.	El 53,38% de los pacientes no presentaron parasitismo intestinal, mientras que en los casos positivos predominó el reporte de <i>Entamoeba coli</i> (48%) y <i>Entamoeba histolytica</i> (42%). Se observó una alta incidencia de poliparasitosis en las muestras positivas. La parasitosis fue más común en niños de 8 a 10 años.
Prevalencia de toxoplasmosis en estudiantes de la Universidad Nacional de Chimborazo en Ecuador.	2018	Determinar la seroprevalencia de <i>Toxoplasma gondii</i> en mujeres jóvenes en edad fértil y evaluar su relación con el nivel de conocimiento sobre la enfermedad.	<i>Toxoplasma gondii</i> .	Universidad Nacional de Chimborazo, Riobamba.	Suero (sangre).	Humano.	Determinación de IgG anti- <i>T. gondii</i> mediante técnica de quimioluminiscencia.	El 36% de las estudiantes resultaron seropositivas para <i>T. gondii</i> , indicando contacto previo con el parásito. La falta de conocimiento sobre las principales vías de transmisión, especialmente la exposición al contacto con gatos y la ingestión de carnes crudas o mal cocidas, se destacó como un factor relevante. La mayoría de las participantes eran seronegativas.

Community Epidemiology Approach to Parasitic Infection Screening in a Remote Community in Ecuador.	2019	Implementar y evaluar un enfoque de epidemiología comunitaria para la detección de infecciones parasitarias en comunidades remotas de la población indígena Awa en Ecuador.	<i>Giardia intestinalis</i> y <i>Entamoeba histolytica/dispar</i> .	Comunidades remotas de la población indígena Awa en la provincia de Esmeraldas.	Heces y sangre.	Humano.	Microscopía de heces.	Alta prevalencia de helmintos transmitidos por el suelo, especialmente <i>Ascaris lumbricoides</i> (54.9%) y <i>Trichuris trichiura</i> (36.9%). La infección por <i>Strongyloides stercoralis</i> se detectó mediante serología en un 22.7% de los individuos. <i>Giardia intestinalis</i> fue encontrada en 11% de las muestras.
Data scarcity and ecological complexity: the cutaneous leishmaniasis dynamics in Ecuador.	2019	Desarrollar y ajustar un modelo epidemiológico de Leishmaniasis cutánea incorporando preferencias de alimentación del vector y hospedadores alternativos (aves).	<i>Leishmania</i> spp.	Valle Hermoso, Santo Domingo de los Tsáchilas.	Flebótomo s.	Insectos.	PCR (citocromo b vertebrado, PNOC, cit b aviar; multiplex mamíferos) y secuenciación.	Preferencia por aves: $\alpha_v \approx 3.82$; de 106 hembras engordadas, 84 tuvieron sangre de aves y 22 de mamíferos; 42/106 positivas a <i>Leishmania</i> (33 de las que comieron aves también positivas). Probabilidades de transmisión (escenarios de mejor ajuste): vector→humano ~0.03, humano→vector ~0.07, vector→ave ~0.30, ave→vector ~0.27; el

								texto también menciona estimaciones ~27% y 32% para (ave→vector) y (vector→ave).
Serology for Neosporosis, Q fever and Brucellosis to assess the cause of abortion in two dairy cattle herds in Ecuador.	2019	Investigar causas infecciosas de aborto en ganado lechero en Ecuador mediante seroprevalencia de <i>Neospora caninum</i> , <i>Coxiella burnetii</i> y <i>Brucella abortus</i> .	<i>Neospora caninum</i> .	Santo Domingo.	Suero.	Ganado bovino.	ELISA comercial (ID Screen®) para <i>N. caninum</i> , <i>C. burnetii</i> , <i>B. abortus</i> .	Seroprevalencia: Q fever 52,9%, Neosporosis 21,5%, Brucellosis 0%. Asociación con aborto: <i>N. caninum</i> OR=2,66 (IC95% 1,19–5,92; p=0,014). <i>C. burnetii</i> sin asociación (OR=0,73; p=0,316).

<p>Natural <i>Leishmania</i> (<i>Leishmania mexicana</i>) infection and biting activity of anthropophilic sand fly <i>Lutzomyia ayacuchensis</i> in the Ecuadorian Andes.</p>	<p>2019</p>	<p>Describir la infección natural por <i>Leishmania</i> en <i>Lu. ayacuchensis</i> y su actividad de picadura para entender la transmisión de LC andina.</p>	<p><i>Leishmania</i> (<i>Leishmania mexicana</i>).</p>	<p>Alausí, Chimborazo.</p>	<p>Flebótomo s.</p>	<p>Insectos.</p>	<p>Microscopía, PCR del gen cit b, clonación y secuenciación Sanger.</p>	<p>1.037 hembras disecadas, 30 positivas (2,89%); tasas mensuales 0,75 - 8,33%. Actividad de picadura: inicia 17:30, máximo 18:00 - 19:30, cae después de 20:00. Mayores tasas de infección al final de la estación lluviosa.</p>
<p>PCR-RFLP analyses of <i>Leishmania</i> species causing cutaneous and mucocutaneous leishmaniasis revealed distribution of genetically complex strains with hybrid and mito-nuclear discordance in Ecuador.</p>	<p>2019</p>	<p>Desarrollar un método simple y práctico para la identificación de especies de <i>Leishmania</i> en Ecuador utilizando análisis de polimorfismo de longitud de fragmentos de restricción (RFLP) dirigido a múltiples genes nucleares, y comparar los resultados con el análisis de secuencias del gen citocromo b.</p>	<p><i>Leishmania</i> (<i>Viannia</i>) <i>guyanensis</i>, <i>Leishmania</i> (<i>Viannia</i>) <i>braziliensis</i>, <i>Leishmania</i> (<i>Viannia</i>) <i>panamensis</i>, <i>Leishmania</i> (<i>Viannia</i>) <i>naiffi</i> y <i>Leishmania</i> (<i>Leishmania mexicana</i>).</p>	<p>33 sitios en 14 provincias de Ecuador (incluyendo áreas de la costa, Amazonía y Andes).</p>	<p>Lesiones cutáneas (FTA cards con muestras de tejido residual).</p>	<p>Humano.</p>	<p>Análisis PCR-RFLP de genes nucleares (cyt b, hsp70, mpi y 6pgd), secuenciación genética.</p>	<p>El estudio identificó cepas híbridas complejas de <i>Leishmania</i> con discordancia entre genes mitocondriales y nucleares. Se detectaron híbridos de <i>L. (V.) guyanensis</i> y <i>L. (V.) panamensis</i>, así como cepas con características híbridas entre <i>L. (V.) guyanensis</i> y <i>L. (V.) braziliensis</i>. Esto sugiere que existen cepas genéticamente más complejas en Ecuador de lo que se pensaba, lo que puede influir en la severidad de la enfermedad y en la</p>

								transmisión por diferentes especies de flebotomíneos.
Diverse origin of <i>Plasmodium falciparum</i> in northwest Ecuador.	2019	Caracterizar genéticamente la población de <i>Plasmodium falciparum</i> en el noroeste de Ecuador, especialmente en la provincia de Esmeraldas, para comprender la estructura genética de las cepas y su relación con las de países vecinos.	<i>Plasmodium falciparum</i> .	Provincia de Esmeraldas, cantón San Lorenzo, noroeste de Ecuador.	Sangre (muestras obtenidas por punción digital o recolección de sangre periférica).	Humano.	PCR, análisis de microsatélites (siete marcadores neutrales), análisis de redes de haplotipos, genotipado.	Se identificaron tres grupos genéticos principales de <i>P. falciparum</i> en el noroeste de Ecuador. Los grupos mostraron una relación cercana con poblaciones reportadas previamente en Colombia y Perú, indicando posible migración o reintroducción de linajes ancestrales. La diversidad genética fue baja, reflejando eventos de cuello de botella. No se encontraron mutaciones resistentes a la artemisinina, pero sí

								<p>marcadores de resistencia a cloroquina y otros medicamentos antimaláricos.</p>
<p>Genotypes and phenotypes of resistance in Ecuadorian <i>Plasmodium falciparum</i>.</p>	<p>2019</p>	<p>Analizar la resistencia a medicamentos en muestras de <i>Plasmodium falciparum</i> de Ecuador, evaluando los genotipos y fenotipos de resistencia.</p>	<p><i>Plasmodium falciparum</i>.</p>	<p>Provincias de Esmeraldas, Carchi, Orellana y Sucumbíos.</p>	<p>Sangre completa y muestras en papel de filtro.</p>	<p>Humano.</p>	<p>PCR para detección de marcadores de resistencia, análisis de copias de Pfmdr1 mediante qPCR, ensayos de sensibilidad a fármacos in vitro.</p>	<p>La mayoría de las muestras presentaron genotipos asociados a resistencia a cloroquina (CVMNT y CVMET). Las cepas analizadas mostraron sensibilidad a la artemisinina, lumefantrina, mefloquina, quinina y dihidroartemisina, confirmando la eficacia del tratamiento antimalárico actual en Ecuador. Las mutaciones de Pfmdr1 y las copias simples fueron comunes,</p>

								sugiriendo sensibilidad a mefloquina.
Anthropophilic phlebotomine sand fly <i>Lutzomyia</i> species and search for the natural <i>Leishmania</i> infections in an area endemic for cutaneous leishmaniasis in Ecuador.	2019	Investigar la diversidad y posibles vectores de flebótomos del género <i>Lutzomyia</i> que interactúan con humanos y su posible papel en la transmisión de <i>Leishmania</i> en una región endémica de Ecuador.	<i>Leishmania (Viannia) guyanensis</i> (infección buscada pero no detectada en flebótomos).	Las Cruces-Pedro Pablo Gomez, cantón Jipijapa, provincia de Manabí.	Flebótomo s.	Insectos.	Prueba de microscopía, PCR para detección de <i>Leishmania</i> .	Se identificaron ocho especies de flebótomos antropofílicos, con predominancia de <i>Lutzomyia robusta</i> y <i>Lu. trapidoi</i> . Ninguno de los 1,924 flebótomos capturados mostró infecciones naturales por <i>Leishmania</i> mediante pruebas microscópicas o PCR, lo que sugiere la necesidad de más estudios para comprender su papel como posibles vectores.

<p>Congenital Chagas Disease in the Ecuadorian Amazon: Maternal Screening at Delivery and Evaluation of Risk Factors Associated with Vector Exposure.</p>	<p>2019</p>	<p>Evaluar una estrategia de intervención para detectar casos de Chagas congénito mediante el análisis de sangre de cordón umbilical en mujeres embarazadas de la región amazónica ecuatoriana y caracterizar los factores de riesgo asociados a la exposición vectorial.</p>	<p><i>Trypanosoma cruzi.</i></p>	<p>Hospital Francisco de Orellana (provincia de Orellana).</p>	<p>Sangre de cordón umbilical.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Serología (ELISA, hemaglutinación indirecta), PCR, hemocultivo, microscopía.</p>	<p>De 146 mujeres estudiadas, una mostró resultados seropositivos para <i>T. cruzi</i>. No hubo transmisión congénita observada en el recién nacido ni en sus otros hijos. Los niveles de conocimiento sobre la enfermedad eran bajos, con solo el 16.1% de las mujeres habiendo oído de la enfermedad de Chagas.</p>
<p>High Rates of Exposures to Waterborne Pathogens in Indigenous Communities in the Amazon Region of Ecuador.</p>	<p>2019</p>	<p>Evaluar la exposición a patógenos transmitidos por agua en comunidades indígenas Shuar del Amazonas ecuatoriano.</p>	<p><i>Giardia intestinalis</i> y <i>Entamoeba histolytica</i>.</p>	<p>Dos comunidades indígenas Shuar en la región amazónica sur de Ecuador (Morona Santiago).</p>	<p>Sangre y heces.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Serología (ELISA para detección de IgG anti-HAV y <i>Leptospira</i> spp.), microscopía de heces (técnica de Kato-Katz y concentración por formol - éter).</p>	<p>Alta seroprevalencia de hepatitis A (98.1%) y <i>Leptospira</i> spp. (50%). Se identificó infección por parásitos entéricos en 62.6% de los participantes. La prevalencia y exposición a los patógenos fue mayor entre los participantes mayores de seis años y en familias con condiciones socioeconómicas vulnerables.</p>

<p>Use of Real-Time Polymerase Chain Reaction to Differentiate between Pathogenic <i>Entamoeba histolytica</i> and the Nonpathogenic <i>Entamoeba dispar</i> in Ecuador.</p>	<p>2019</p>	<p>Evaluar la precisión del uso de la PCR en tiempo real para diferenciar entre <i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Entamoeba dispar</i> en muestras de heces en Ecuador.</p>	<p><i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Entamoeba dispar</i>.</p>	<p>Provincias de Esmeraldas (zona rural) y Pichincha (zona urbana).</p>	<p>Heces.</p>	<p>Humano.</p>	<p>PCR en tiempo real (RT-PCR) para diferenciación de especies, microscopía.</p>	<p>De las 106 muestras analizadas inicialmente mediante microscopía, todas se identificaron como positivas para <i>E. histolytica/dispar</i>. No obstante, la PCR en tiempo real mostró que solo el 2.8% correspondía a <i>E. histolytica</i>, mientras que el 69.8% eran <i>E. dispar</i>. El 27.4% de las muestras no contenía <i>E. histolytica</i> ni <i>E. dispar</i>, sugiriendo posible presencia de <i>Entamoeba moshkovskii</i>.</p>
--	-------------	---	--	---	---------------	----------------	--	---

<p>Predictores de la coinfección toxoplasmosis cerebral/VIH por sexo, registrados en hospitales públicos en Guayaquil, Ecuador.</p>	<p>2019</p>	<p>Determinar las variables socioeconómicas, serológicas y signos neurológicos focales asociados a la coinfección de toxoplasmosis cerebral (TC) y VIH, y evaluar diferencias por sexo en pacientes atendidos en dos hospitales de referencia de Guayaquil.</p>	<p><i>Toxoplasma gondii</i>.</p>	<p>Guayaquil, Ecuador (Hospital de Especialidades Guayaquil “Dr. Abel Gilbert Pontón” y el Hospital de Infectología “Dr. José Rodríguez Maridueña”).</p>	<p>Pacientes VIH positivos (no se especifica tipo de muestra específica).</p>	<p>Humano.</p>	<p>Pruebas serológicas, análisis tomográficos (TAC) y resonancia magnética nuclear (RMN).</p>	<p>Se observaron diferencias significativas por sexo en factores como estado laboral, estado civil, consumo de sustancias y hallazgos tomográficos. Los pacientes con TC y VIH mostraron mayor prevalencia de convulsiones y signos neurológicos focales, siendo más frecuentes en hombres. Las mujeres tendieron a ser más jóvenes que los hombres al momento del diagnóstico.</p>
<p>First report and molecular identification of <i>Trypanosoma (Duttonella) vivax</i> outbreak in cattle population from Ecuador.</p>	<p>2020</p>	<p>Identificar y caracterizar la especie <i>Trypanosoma</i> involucrada en un brote de tripanosomosis bovina en la provincia de Manabí, Ecuador, mediante métodos moleculares.</p>	<p><i>Trypanosoma (Duttonella) vivax</i>.</p>	<p>Convento, provincia de Manabí.</p>	<p>Sangre.</p>	<p>Ganado bovino.</p>	<p>PCR de punto final para el gen CatL-like, secuenciación y análisis filogenético.</p>	<p>Tres muestras de ganado resultaron positivas para <i>T. vivax</i>, marcando el primer reporte de esta especie en el ganado ecuatoriano. Los análisis filogenéticos mostraron una relación cercana con aislamientos de <i>T. vivax</i> de Colombia, Brasil, Venezuela y África Occidental. El brote se asoció a signos clínicos como fiebre, mucosas</p>

								pálidas y anemia en el ganado afectado.
Bovine neosporosis in dairy cattle from the southern highlands of Ecuador.	2020	Describir la prevalencia de neosporosis bovina en ganado lechero de la región sur de la Sierra de Ecuador y evaluar la asociación entre la seropositividad a <i>Neospora caninum</i> y los eventos de aborto, así como la frecuencia de transmisión vertical en fetos.	<i>Neospora caninum</i> .	Provincias de Azuay y Cañar.	Suero (sangre) y tejidos fetales.	Ganado bovino	ELISA para detección de IgG, PCR para identificación molecular, examen histopatológico e inmunohistoquímica	La seroprevalencia general de <i>N. caninum</i> fue del 23.4% en ganado lechero. Se observó una asociación significativa entre la seropositividad y eventos de aborto. El 36.9% de los fetos muestreados presentaron ADN de <i>N. caninum</i> , indicando una alta frecuencia de transmisión vertical.

<p>Detection of enteric parasite DNA in household and bed dust samples: potential for infection transmission.</p>	<p>2020</p>	<p>Evaluar la presencia de ADN de parásitos entéricos en muestras de polvo doméstico, incluidas muestras de cama y de sala de estar, para explorar la posible transmisión de infecciones dentro de los hogares en comunidades rurales de la costa de Ecuador.</p>	<p><i>Giardia lamblia</i>, <i>Blastocystis hominis</i>, <i>Cryptosporidium spp.</i> y <i>Entamoeba histolytica</i>.</p>	<p>Comunidades rurales de la provincia de Pichincha.</p>	<p>Polvo doméstico (cama y suelo).</p>	<p>Ambiente.</p>	<p>PCR cuantitativa (qPCR) para detección de ADN de parásitos.</p>	<p>Se detectaron ADN de parásitos entéricos en el polvo de 37 de 38 hogares muestreados, con <i>Blastocystis hominis</i> presente en el 79% de las muestras. El polvo de cama fue más frecuentemente positivo para parásitos que el polvo del suelo. La presencia de <i>Ascaris lumbricoides</i> en el polvo de cama se asoció significativamente con infecciones activas en niños. Estos hallazgos sugieren que el polvo doméstico, especialmente el de camas, podría actuar como un reservorio potencial para la transmisión de parásitos en condiciones de hacinamiento y pobreza.</p>
---	-------------	---	---	--	--	------------------	--	---

<p>Determinants of Childhood Zoonotic Enteric Infections in a Semirural Community of Quito, Ecuador.</p>	<p>2020</p>	<p>Examinar los factores de riesgo asociados con la diarrea infantil y la colonización por patógenos entéricos zoonóticos en niños menores de 5 años que viven en comunidades donde la producción de ganado de pequeña escala es prevalente.</p>	<p><i>Cryptosporidium parvum</i> y <i>Giardia lamblia</i>.</p>	<p>Parroquia semirural de Yaruquí, cerca de Quito (Pichincha).</p>	<p>Heces (niños y animales domésticos).</p>	<p>Humano y animales domésticos (perros, pollos, cerdos, cuyes, vacas, entre otros).</p>	<p>ELISA para detección de <i>Giardia</i> y <i>Cryptosporidium</i>.</p>	<p><i>Giardia</i> fue el patógeno más común identificado en niños y animales en el mismo hogar, especialmente en pares niño-perro. Se encontró que la interacción regular de los niños con animales domésticos aumentaba el riesgo de colonización por patógenos entéricos zoonóticos. No se encontraron asociaciones significativas con diarrea en el último período de siete días, sugiriendo que muchas infecciones pueden ser asintomáticas.</p>
--	-------------	--	--	--	---	--	---	--

<p>Remarkable genetic diversity of <i>Trypanosoma cruzi</i> and <i>Trypanosoma rangeli</i> in two localities of southern Ecuador identified via deep sequencing of mini-exon gene amplicons.</p>	<p>2020</p>	<p>Evaluar la diversidad genética de <i>Trypanosoma cruzi</i> y <i>Trypanosoma rangeli</i> en dos localidades del sur de Ecuador mediante la secuenciación profunda de amplicones del gen mini-exón, y comparar la diversidad genética de infecciones mixtas en distintas etapas de desarrollo de triatomíneos.</p>	<p><i>Trypanosoma cruzi</i> y <i>Trypanosoma rangeli</i>.</p>	<p>Provincia de Loja, Ecuador (comunidades de Bramaderos y Bellamaría).</p>	<p>ADN extraído de contenido intestinal de triatomíneos.</p>	<p>Insectos (triatomíneos).</p>	<p>Secuenciación profunda (NGS) de amplicones del gen mini-exón, PCR para tipificación de parásitos.</p>	<p>Se identificó una alta prevalencia de coinfección de <i>T. cruzi</i> y <i>T. rangeli</i> en triatomíneos, con un 73.5% de infecciones mixtas. Se detectó la presencia de la unidad tipológica discreta (DTU) TcIV en muestras de <i>T. cruzi</i> en la provincia de Loja, lo que no se había reportado previamente. Los análisis revelaron una amplia diversidad genética en ambas especies de parásitos, y se demostró que la secuenciación profunda del mini-exón ofrece una resolución superior para caracterizar las poblaciones de parásitos y su diversidad en regiones endémicas.</p>
--	-------------	---	---	---	--	---------------------------------	--	---

<p>Molecular screening of cattle ticks, tick-borne pathogens, and amitraz resistance in ticks of Santo Domingo de los Tsáchilas province in Ecuador.</p>	<p>2020</p>	<p>Identificar las especies de garrapatas de ganado y los agentes patógenos transmitidos por garrapatas en la provincia de Santo Domingo de los Tsáchilas, Ecuador, así como determinar molecularmente la posible resistencia a amitraz en la especie de garrapata predominante.</p>	<p><i>Babesia bigemina</i>.</p>	<p>Provincia de Santo Domingo de los Tsáchilas y el Carchi.</p>	<p>Garrapatas (especies <i>Rhipicephalus microplus</i> y <i>Amblyomma cajennense</i>).</p>	<p>Arácnidos.</p>	<p>PCR-RFLP, identificación morfológica, análisis de resistencia a amitraz.</p>	<p>Se encontró que <i>R. microplus</i> es la especie de garrapata predominante en la provincia, infestando el 83% de las fincas de ganado. Se detectó <i>Anaplasma marginale</i> en el 57% de las fincas muestreadas. La presencia del alelo de resistencia a amitraz en <i>R. microplus</i> se identificó en el 62% de las fincas, pero solo el 2% mostró resistencia completa. No se detectó <i>Babesia bigemina</i> en Santo Domingo, aunque sí la provincia del Carchi. .</p>
--	-------------	--	---------------------------------	---	--	-------------------	---	---

Determination of the Microbial and Chemical Loads in Rivers from the Quito Capital Province of Ecuador (Pichincha)—A Preliminary Analysis of Microbial and Chemical Quality of the Main Rivers.	2020	Analizar la calidad físico-química y microbiológica de 18 ríos de la provincia de Pichincha, evaluando la presencia de patógenos microbianos y elementos químicos en aguas superficiales para identificar posibles riesgos de salud pública.	<i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Giardia</i> spp.	Provincia de Pichincha, Quito, Ecuador (18 ríos específicos incluyendo Machángara, Monjas, Pisque, y Pita).	Agua superficial de ríos.	Ambiente.	PCR para detección de patógenos parasitarios específicos, conteo de <i>E. coli</i> y análisis fisicoquímico y de metales traza.	Se encontraron altos niveles de contaminación microbiana y metales pesados en la mayoría de los ríos, superando los límites establecidos por la legislación ecuatoriana. Los ríos Machángara y Monjas fueron los más contaminados. Se detectaron varios patotipos de <i>E. coli</i> y se observó que ciertos ríos tenían concentraciones elevadas de metales como Zn, Cu, Pb, y otros.
Algunas variables epidemiológicas relacionadas con la toxoplasmosis en mujeres en edad fértil en Riobamba.	2020	Determinar la seroprevalencia de toxoplasmosis en mujeres jóvenes y su relación con variables epidemiológicas, tales como hábitos alimentarios, convivencia con animales domésticos y de corral, y el conocimiento sobre los riesgos de ser seronegativas	<i>Toxoplasma gondii</i> .	Riobamba, Ecuador (Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad Nacional de Chimborazo).	Suero (sangre).	Humano.	Determinación de IgG anti- <i>Toxoplasma gondii</i> mediante método de quimioluminiscencia.	El 26.8% de las participantes fueron seropositivas para <i>T. gondii</i> . Se identificó que la vía oral (ingestión de alimentos o agua contaminada) es una fuente común de infección, y la convivencia con animales, especialmente perros y gatos, mostró una correlación significativa con la seroprevalencia.

		durante el embarazo.						
First report of sheep naturally infected with <i>Trypanosoma</i> sp. in Ecuador.	2020	Determinar la presencia de <i>Trypanosoma</i> sp. en ovejas en una región rural de la costa ecuatoriana.	<i>Trypanosoma</i> sp. y <i>Babesia</i> sp.	Ciudad de Colimes, provincia de Guayas, Ecuador.	Sangre.	Ovejas.	Frotis de sangre con tinciones de Romanowsky (Giemsa y Diff-Quick).	Se detectaron <i>Trypanosoma</i> sp. en el 2% de las ovejas muestreadas, constituyendo el primer reporte de este hemoparásito en ovejas en Ecuador. También se identificaron casos de <i>Babesia</i> sp. (1%) y <i>Anaplasma marginale</i> (4%). Los animales infectados no presentaron síntomas, aunque mostraron anemia leve.

Parasitosis intestinales y factores de riesgo de enteroparasitosis en escolares de la zona urbana del cantón Jipijapa, Ecuador.	2020	Determinar la prevalencia de parásitos intestinales y factores de riesgo en escolares del cantón Jipijapa.	<i>Blastocystis sp.</i> , <i>Endolimax nana</i> , <i>Entamoeba coli</i> , complejo <i>Entamoeba</i> . <i>G. lamblia</i> .	Jipijapa (Manabí).	Heces.	Humano.	Examen directo (SSF 0,85% + Lugol) y concentración de Ritchie.	Prevalencia global: 30,59%; monoparasitismo 59,62% vs poliparasitismo 40,38% (máx. 5 especies). Especies y frecuencias (Tabla 1): <i>Blastocystis sp.</i> 12,99% (43), <i>E. nana</i> 13,90% (46); <i>Entamoeba coli</i> 7,85% (26), complejo Entamoeba 6,34% (21), <i>G. lamblia</i> 5,14% (17).
Anopheline and human drivers of malaria risk in northern coastal, Ecuador: a pilot study.	2020	Cuantificar composición y comportamiento de anofelinos y conductas humanas para estimar exposición a picaduras, y detectar infecciones asintomáticas por <i>Plasmodium</i> .	<i>Plasmodium falciparum</i> y <i>Plasmodium vivax</i> .	San José de Chamanga, cantón Muisne, Esmeraldas.	Sangre.	Humanos.	qPCR varATS para <i>P. falciparum</i> y cox1 para <i>P. vivax</i> .	Infecciones humanas: 2/398 (0.5%) qPCR-positivas para <i>P. falciparum</i> (<1 parásito/μL), RDT negativas, 0 <i>P. vivax</i> .
Fatal acute Chagas disease by <i>Trypanosoma cruzi</i> DTU TcI, Ecuador.	2020	Describir un caso fatal de Chagas aguda en Ecuador y tipificar genéticamente el parásito (DTU).	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	La Maná, Cotopaxi.	Sangre.	Humano.	Microscopía (frotis grueso/fino) positiva para <i>T. cruzi</i> , hemocultivo LIT, PCR; PCR-RFLP (24Sα rRNA D7, GPI/HhaI,	Confirmación de <i>T. cruzi</i> por microscopía, cultivo y PCR. DTU TcI por PCR-RFLP y mini-exón. Fallecimiento por miocarditis y falla renal aguda.

							HSP60/EcoRV), multiplex PCR del mini-exón.	
Prevalencia de protozoarios intestinales y factores asociados en niños de 3 a 7 años en la Unidad Educativa del Milenio, parroquia de Quisapincha. Ambato- Ecuador 2018.	2020	Estimar la prevalencia de protozoarios intestinales y factores asociados en escolares de 3–7 años de la UEM Quisapincha.	<i>Giardia lamblia</i> (<i>G. intestinalis</i> , <i>duodenalis</i>), <i>Blastocystis hominis</i> , <i>Entamoeba histolytica</i> , <i>Endolimax nana</i> .	Parroquia Quisapincha, cantón Ambato, Tungurahua.	Heces.	Humano.	Examen directo, concentración de Ritchie y prueba de Graham.	Prevalencia general 73,42% (58/79). Por especie: <i>Giardia</i> 37,93%, <i>Blastocystis</i> 25,86%, <i>Entamoeba histolytica</i> 22,41%, <i>Endolimax nana</i> 13,80%. Mayor proporción en varones (41,75%) que en niñas (31,62%). Edad con mayor prevalencia: 6 años.

Detection of <i>Babesia</i> spp. in High Altitude Cattle in Ecuador, Possible Evidence of the Adaptation of Vectors and Diseases to New Climatic Conditions.	2021	Investigar la presencia y caracterización molecular de <i>Babesia bovis</i> y <i>Babesia bigemina</i> en ganado bovino en dos áreas de Ecuador, incluyendo una región de alta altitud, y evaluar la adaptación de vectores como <i>Rhipicephalus microplus</i> a nuevos climas.	<i>Babesia bovis</i> y <i>Babesia bigemina</i> .	El Carmen (Manabí) y una finca en Quito (Pichincha).	Sangre.	Ganado bovino.	PCR del gen ribosomal 18S, análisis de restricción enzimática.	Se encontró una prevalencia de <i>Babesia</i> spp. de 18.94% y 20.28% en las regiones de El Carmen y Quito, respectivamente. Los resultados mostraron <i>B. bovis</i> como predominante en ambas áreas. Este estudio marca la primera caracterización molecular de <i>Babesia</i> spp. en ganado en Quito a 2469 metros sobre el nivel del mar, sugiriendo una posible adaptación de los vectores y de la enfermedad a climas de alta altitud.
<i>Trypanosoma cruzi</i> co-infections with other vector-borne diseases are frequent in dogs from the pacific coast of Ecuador.	2021	Evaluar la seroprevalencia de <i>Trypanosoma cruzi</i> en perros de la comunidad de Colón, Portoviejo, en la costa central de Ecuador, y determinar la frecuencia de coinfección con otras enfermedades transmitidas por vectores en perros	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Colón, Portoviejo, provincia de Manabí.	Sangre.	Perros domésticos.	ELISA para detección de anticuerpos, pruebas IDEXX SNAP® 4Dx® para detección de coinfecciones.	De 84 perros muestreados, el 57.14% resultaron seropositivos para <i>T. cruzi</i> . En un análisis posterior de 25 perros seropositivos, se identificaron coinfecciones con <i>Ehrlichia</i> spp. (48%), <i>Anaplasma</i> spp. (28%) y <i>Dirofilaria immitis</i> (12%).

		seropositivos a <i>T. cruzi</i> .						
Incidence of avian malaria in hummingbirds in humid premontane forests of Pichincha Province, Ecuador: A pilot study.	2021	Determinar la incidencia de malaria aviar causada por <i>Plasmodium</i> en colibríes de dos áreas del bosque premontano húmedo en la provincia de Pichincha, Ecuador, y evaluar si la altitud influye en la prevalencia y parasitemia.	<i>Plasmodium</i> spp.	Santuario de Aves Milpe (San Miguel de Los Bancos) y Hacienda Puyucunapi (Nanegalito), provincia de Pichincha.	Sangre.	Colibríes (12 especies).	Examen microscópico de frotis de sangre teñidos con Giemsa.	La prevalencia combinada de malaria aviar fue del 97%, con una prevalencia del 100% en Milpe y 96% en Puyuhuapi. No se encontraron diferencias significativas en la prevalencia ni parasitemia en relación con la altitud o el sexo de las aves. Los niveles de parasitemia variaron entre las especies de colibríes, con <i>Heliodoxa imperatrix</i> mostrando el nivel más alto de parasitemia.

Occurrence of enteroparasites with zoonotic potential in animals of the rural area of San Andrés, Chimborazo, Ecuador.	2021	Identificar los enteroparásitos presentes en animales de la comunidad rural de San Andrés, evaluar su papel como posibles fuentes de infección zoonótica para otros animales y humanos, y su contribución a la diseminación ambiental de parásitos.	<i>Blastocystis</i> sp., <i>Entamoeba</i> spp., <i>Giardia</i> spp., <i>Balantidium coli</i> y <i>Cryptosporidium</i> spp.	Comunidad rural de San Andrés, provincia de Chimborazo.	Heces.	Animales (ganado, cerdos, perros, gatos, aves, cobayos, conejos).	Examen coproparasitológico o directo, método de Ritchie y Ziehl-Neelsen modificado para detección de protozoos y helmintos.	Se detectó una alta prevalencia de protozoos (87.3%) y helmintos (31.0%) en los animales evaluados. Los parásitos más comunes fueron <i>Blastocystis</i> sp., <i>Entamoeba</i> spp. y <i>Giardia</i> spp. Todos los bovinos, ovejas y cobayos mostraron algún tipo de parásito, destacándose la importancia de estos animales como posibles reservorios zoonóticos y fuentes de contaminación del suelo y agua.
Sexually transmitted infections and factors associated with risky sexual practices among female sex workers: A cross-sectional study in a large Andean city.	2021	Evaluar las infecciones de transmisión sexual (ITS) y los factores asociados con prácticas sexuales de riesgo (RSP) entre trabajadoras sexuales femeninas (FSWs) en Quito, Ecuador.	<i>Trichomonas vaginalis</i> .	Quito, (Pichincha).	Frotis vaginales.	Humano.	PCR en tiempo real para detección de ITS, cuestionario sobre prácticas de riesgo.	El 17.6% de las participantes presentó al menos una ITS activa, con una prevalencia de coinfección del 2.4%. Las RSP se asociaron significativamente con la edad, la pertenencia a una asociación de FSW y antecedentes de diagnóstico de ITS. Las RSP incluyeron sexo sin protección, y los hallazgos resaltan la necesidad de mejorar las estrategias de

								prevención y acceso a la atención médica para esta población.
Gut microbiome, enteric infections and child growth across a rural–urban gradient: protocol for the ECoMiD prospective cohort study.	2021	Examinar la relación entre el microbioma intestinal, las infecciones entéricas y el crecimiento infantil a lo largo de un gradiente rural-urbano en Ecuador, evaluando el impacto de condiciones ambientales en el microbioma y el desarrollo infantil.	<i>Giardia</i> sp.	Ciudades de Esmeraldas, Borbón, y comunidades rurales en el cantón Eloy Alfaro, provincia de Esmeraldas.	Muestras fecales de niños.	Humano.	Análisis de microbioma mediante secuenciación de amplicones de gen 16s rRNA, análisis de infecciones entéricas con tarjetas TaqMan Array Card (TAC), análisis de biomarcadores de inflamación intestinal.	Este es un estudio de protocolo diseñado para evaluar longitudinalmente cómo el microbioma intestinal infantil y las infecciones entéricas interactúan y afectan el crecimiento y desarrollo. Las condiciones ambientales y prácticas de higiene son evaluadas como posibles factores modificadores.

<p>Endoparasites in the Synanthropic Feral Pigeon (<i>Columba livia domestica</i>) in Southern Ecuador.</p>	<p>2021</p>	<p>Evaluar la prevalencia de endoparásitos gastrointestinales y hemoprotozoarios en palomas sinantrópicas ferales de la ciudad de Loja, Ecuador, y analizar factores asociados como el índice de masa corporal, el sexo y la ubicación.</p>	<p><i>Eimeria</i> sp. y <i>Haemoproteus</i> sp.</p>	<p>Loja (Plazas San Sebastián, Santo Domingo, San Francisco y Parque Central).</p>	<p>Heces y frotis de sangre periférica.</p>	<p>Palomas ferales.</p>	<p>Método de flotación de McMaster para análisis de parásitos gastrointestinales, tinción de Giemsa para frotis sanguíneo.</p>	<p>La prevalencia general de parásitos gastrointestinales fue del 79.51%. Se detectaron <i>Ascaridia columbae</i> (13.64%), <i>Capillaria</i> sp. (3.79%), <i>Eimeria</i> sp. (25%), y ooquistes no esporulados de coccidios (75%). En sangre, el 87.5% de las muestras fueron positivas para <i>Haemoproteus</i> sp. La infección con <i>Haemoproteus</i> fue más común en individuos con bajo índice de masa corporal. Las palomas ferales actúan como hospedadores para diversos parásitos, con implicaciones para la salud y control de poblaciones urbanas.</p>
---	-------------	---	---	--	---	-------------------------	--	--

Atypical Cutaneous Leishmaniasis Variant.	2021	Presentar un caso de leishmaniasis cutánea atípica en un hombre de 35 años en la costa del Pacífico de Ecuador, y discutir las características clínicas y el manejo de esta variante inusual de leishmaniasis cutánea.	<i>Leishmania</i> spp.	Costa del Pacífico de Ecuador (Guayas).	Lesión cutánea.	Humano.	Histopatología (tinción de Giemsa), análisis clínico, examen dermatológico.	Se presentó una placa verrucosa de 4 x 5 cm en el muslo posterior izquierdo del paciente, con histopatología que mostró inflamación granulomatosa y cuerpos de <i>Leishman-Donovan</i> (amastigotes). El paciente fue tratado con antimonio de meglumina intramuscular, mostrando mejoría significativa. Se destacó la importancia de considerar variantes atípicas de leishmaniasis para un diagnóstico temprano y manejo adecuado.
---	------	--	------------------------	---	-----------------	---------	---	--

Active Transmission of <i>Trypanosoma cruzi</i> in Schoolchildren from the Amazon Region in Napo Province, Ecuador.	2021	Estimar seroprevalencia de anticuerpos anti- <i>T. cruzi</i> en escolares de Chontapunta para evidenciar transmisión activa.	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Chontapunta, Napo.	Suero.	Humanos.	ELISA recombinante (Chagastest V3.0, Weiner Lab). Hemaglutinación indirecta.	Seroprevalencia general: 0,77% (4/516: IC95% 0,31–1,97). Por comunidad: Chontapunta 0,46% (2/439). Runashito 1,49% (1/67). San Ascencio 10% (1/10).
Gestión de diagnóstico de leishmaniasis cutánea y mucocutánea en Ecuador 2019–2020.	2021	Caracterizar la situación epidemiológica y la gestión diagnóstica de leishmaniasis cutánea y mucocutánea en Ecuador (2019–2020) según forma clínica, provincia y pruebas utilizadas.	<i>Leishmania</i> spp.	Todas con excepción de Galápagos.	Biopsia de tejido y aspirado del borde de la lesión.	Humanos.	Microscopía de extendidos teñidos (Romanowsky: Giemsa/Field/Wright) prueba Montenegro.	Casos reportados: 2019 = 1.104 (1.084 LC; 20 LMC), 2020 (SE53) = 924 (894 LC; 30 LMC). Positivos por prueba (2019): LC - biopsia 890, aspirado 285, leishmania 492, LMC - biopsia 19, aspirado 17, leishmania 17. 2020: LC - biopsia 577, aspirado 173, leishmania 449, LMC - biopsia 27, aspirado 19, leishmania 29.

Prevalencia de parasitosis intestinal en la población infantil de una zona rural del Ecuador.	2021	Describir la prevalencia de parásitos intestinales en escolares de 6 - 12 años en zonas rurales.	<i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Giardia lamblia</i> .	Paute, provincia de Azuay.	Heces.	Humanos.	Examen directo con solución salina y Lugol, microscopía.	Prevalencia general: 23,52% (143/608). Por sexo: Varones 14,63% vs mujeres 8,88%; asociación significativa ($p < 0,005$). Mono - parasitismo entre positivos: 63,64% mono vs 36,36% poli. Especies identificadas (sobre 191 registros): <i>E. histolytica</i> 63,35%, <i>E. coli</i> 16,23%, <i>G. lamblia</i> 14,66%.
Prevalencia de <i>Toxoplasma gondii</i> en mujeres embarazadas asintomáticas en Quito, Ecuador 2020.	2021	Determinar la seroprevalencia de <i>T. gondii</i> y factores de riesgo asociados en gestantes atendidas en un hospital de Quito.	<i>Toxoplasma gondii</i> .	Quito, Pichincha.	Suero.	Humanos.	Hemoaglutinación indirecta (TOXOTEST HAI: sensibilidad 95%, especificidad 96%). Control de heterofilia. 2-mercaptoetanol (disminución ≥ 2	Seroprevalencia: 16,32% (64/392: IC95% 12,67 - 19,97). Títulos: 1/16 - 1/128, con mayor frecuencia 1/16 - 1/32 (~71,9%). Factores asociados (bivariado): abortos previos ($p = 0,00804$), convivencia con gatos ($p < 0,0001$), hábitos higiénicos incorrectos ($p < 0,0001$); no asociación con edad, trimestre, gestas ($p > 0,05$).

							diluciones) para indicar IgM – infección reciente.	
Factores de riesgos y nivel de conocimiento de la enfermedad de Chagas en la parroquia Juan Gómez Rendón, Guayas- Ecuador 2020.	2021	Evaluar factores de riesgo y nivel de conocimiento sobre Chagas e investigar infestación/infección por <i>T. cruzi</i> en triatomíneos en seis localidades de Juan Gómez Rendón.	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Parroquia Juan Gómez Rendón, Guayas.	Triatomíneos y heces.	Insectos.	Identificación taxonómica del vector, observación microscópica (400×) de heces diluidas en NaCl 0,85% para detectar <i>T. cruzi</i> .	Viviendas con triatomíneos: 70/165 (42,42%); viviendas con vectores infectados por <i>T. cruzi</i> : 38/165 (22,03%). Especie identificada: <i>Triatoma dimidiata</i> ; triatomíneos capturados: 232; infección natural por <i>T. cruzi</i> : 65/232 (28,01%).

Factores de riesgos y nivel de conocimiento de la enfermedad de Chagas en la parroquia General Villamil, Guayas-Ecuador 2020.	2021	Evaluar factores de riesgo y nivel de conocimiento, e investigar infestación domiciliar/peri domiciliar e infección por <i>T. cruzi</i> en triatominos.	<i>Trypanosoma cruzi</i> .	Parroquia General Villamil (cantón Playas), Guayas.	Triatominos y heces.	Insectos.	Identificación taxonómica por edad. Microscopía 400× de heces diluidas en NaCl 0,85% para detectar <i>T. cruzi</i> .	<p>Viviendas con triatominos: 19/58 (32,75%). Viviendas con vectores infectados: 13/58 (≈22%: IC95% 10,8 – 34). Especie del vector: <i>Triatoma dimidiata</i> (100% de capturas, adulto).</p> <p>Positividad a <i>T. cruzi</i> en vectores: 13/19 (81,25%). Factores de riesgo significativos (χ^2): tipo de vivienda rancho (p=0,0144), paredes bahareque-madera sin friso (p=0,0364).</p>
---	------	---	----------------------------	---	----------------------	-----------	--	--

<p>First Molecular Identification of Trypanosomes and Absence of <i>Babesia</i> sp. DNA in Faeces of Non-Human Primates in the Ecuadorian Amazon.</p>	<p>2022</p>	<p>Identificar molecularmente <i>Trypanosoma</i> y <i>Babesia</i> en primates no humanos (PNH) del Amazonas ecuatoriano utilizando muestras de heces como alternativa no invasiva.</p>	<p><i>Trypanosoma</i> sp.</p>	<p>Pastaza, Napo y Morona Santiago.</p>	<p>Heces.</p>	<p>Primates no humanos (PNH) en libertad y en cautiverio.</p>	<p>PCR anidada (Nested-PCR) y secuenciación de amplicones del gen ITS para <i>Trypanosoma</i>.</p>	<p>De 76 muestras de heces analizadas, se detectaron <i>Trypanosoma</i> en dos muestras (una de un <i>Leontocebus lagonotus</i> en cautiverio y otra de un <i>Cebus albifrons</i> en libertad). No se detectó ADN de <i>Babesia</i> en ninguna muestra. Los resultados filogenéticos sugieren que estas secuencias pertenecen al género <i>Trypanosoma</i>, aunque se trata de secuencias no caracterizadas previamente. El estudio resalta la utilidad del análisis molecular no invasivo en PNH para la detección de patógenos sanguíneos.</p>
---	-------------	--	-------------------------------	---	---------------	---	--	--

Prevalencia de malaria gestacional en Ecuador.	2022	Determinar la frecuencia de casos de malaria gestacional diagnosticados en Ecuador entre 2015 y 2018.	<i>Plasmodium falciparum</i> y <i>Plasmodium vivax</i> .	Provincias de Esmeraldas, Pastaza, Orellana, Morona Santiago, Carchi, Napo, Cañar, El Oro y Guayas.	Sangre periférica materna y muestras placentarias.	Humano.	Pruebas de diagnóstico rápido (PDR), confirmación mediante gota gruesa y extendido coloreado.	Entre 2015 y 2018 se registraron 46 casos de malaria gestacional, siendo <i>P. falciparum</i> la especie más prevalente (54.35%). Las provincias con más casos fueron Esmeraldas, Pastaza y Orellana. El segundo trimestre de gestación fue el más afectado, y la mayoría de los casos se registraron en mujeres de 20 a 29 años. El estudio resalta la necesidad de medidas preventivas y educativas para proteger a las mujeres embarazadas en regiones endémicas.
Apicomplexans in Goat: Prevalence of <i>Neospora caninum</i> , <i>Toxoplasma gondii</i> , <i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Eimeria</i> spp.	2022	Determinar la prevalencia de infecciones por protozoarios apicomplejos en cabras, incluidas <i>Neospora caninum</i> , <i>Toxoplasma gondii</i> , <i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Eimeria</i> spp., en varias granjas en la región sur del Ecuador.	<i>Neospora caninum</i> , <i>Toxoplasma gondii</i> , <i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Eimeria</i> spp.	Cantón Zapotillo, provincia de Loja.	Suero (para <i>Neospora caninum</i> y <i>Toxoplasma gondii</i>), heces (para <i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Eimeria</i> spp.)	Caprinos (cabras).	ELISA para detección de anticuerpos.	La prevalencia de <i>Neospora caninum</i> y <i>Toxoplasma gondii</i> fue baja (4% y 6%, respectivamente). La prevalencia de <i>Cryptosporidium</i> spp. fue del 7%, mientras que <i>Eimeria</i> spp. mostró una alta prevalencia (92%), con la especie más común identificada como <i>Eimeria arloingi</i> .

Single gene targeted nanopore sequencing enables simultaneous identification and antimicrobial resistance detection of sexually transmitted infections.	2022	Desarrollar una prueba de secuenciación de ADN que permita la identificación y la detección simultánea de resistencia antimicrobiana (AMR) en infecciones de transmisión sexual (ITS) en trabajadoras sexuales en Quito, Ecuador.	<i>Trichomonas vaginalis</i> .	Quito (Pichincha).	Hisopos vulvo-vaginales.	Humano.	PCR en tiempo real (qPCR) para detección inicial, secuenciación de nanoporo dirigida a un solo gen mediante MinION para identificación de patógenos y AMR.	De 200 muestras de hisopos, 43 resultaron positivas por qPCR para al menos una de las ITS. La secuenciación de nanoporo permitió identificar eficazmente infecciones y mutaciones asociadas a resistencia a antimicrobianos, como resistencia a fluoroquinolonas en <i>N. gonorrhoeae</i> y resistencia a metronidazol en <i>T. vaginalis</i> .
Molecular identification of <i>Trypanosoma theileri</i> in cattle from the Ecuadorian Amazon.	2022	Identificar molecularmente la presencia de <i>Trypanosoma theileri</i> en ganado bovino de la Amazonía ecuatoriana, utilizando marcadores moleculares para evaluar la diversidad genética y la prevalencia en diferentes localidades.	<i>Trypanosoma theileri</i> .	Provincia de Sucumbíos.	Sangre.	Ganado bovino.	PCR con marcadores moleculares (ITS1, 18S, Cathepsin L-like), análisis filogenético mediante métodos de parsimonia y máxima verosimilitud.	Se detectó la presencia de <i>T. theileri</i> en la localidad de Limoncocha, con una prevalencia molecular del 11.4% usando marcadores ITS1 y del 8.6% usando 18S y CATL. Los análisis filogenéticos confirmaron la pertenencia de las secuencias a los linajes TthI y TthII. No se encontraron signos clínicos relacionados con tripanosomosis en los animales durante el muestreo.

<p><i>Cryptosporidium</i> spp. en muestras de lavado broncoalveolar de pacientes VIH/sida en un hospital de Guayaquil, Ecuador.</p>	<p>2022</p>	<p>Detectar <i>Cryptosporidium</i> spp. en muestras de lavado broncoalveolar (BAL) de pacientes VIH positivos con síndrome respiratorio, y analizar su prevalencia y características clínicas asociadas.</p>	<p><i>Cryptosporidium</i> spp. y <i>Giardia</i> spp.</p>	<p>Guayaquil, Ecuador (Hospital de Infectología Dr. José Daniel Rodríguez Maridueña).</p>	<p>Lavado broncoalveolar (BAL).</p>	<p>Humano.</p>	<p>Microscopía óptica con tinción de Ziehl-Neelsen y PCR de punto final.</p>	<p>La prevalencia de <i>Cryptosporidium</i> spp. mediante PCR fue del 5%. Los signos y síntomas más frecuentes incluyeron fiebre, tos y disnea, principalmente en el grupo etario de 31 a 40 años. No se observaron parásitos mediante la tinción de Ziehl-Neelsen. No se pudo establecer si la presencia del ADN del parásito correspondía a una verdadera infección o a colonización.</p>
---	-------------	--	--	---	-------------------------------------	----------------	--	---

<p>Leishmaniasis cutánea americana: Índices epidemiológicos en Valle Hermoso de la provincia Santo Domingo de Los Tsáchilas.</p>	<p>2022</p>	<p>Describir la situación epidemiológica de la leishmaniasis cutánea en los cantones La Concordia y Santo Domingo.</p>	<p><i>Leishmania</i> spp.</p>	<p>Santo Domingo de los Tsáchilas (La Concordia, Santo Domingo, Valle Hermoso).</p>	<p>Raspado - extendido de lesión cutánea.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Microscopía de amastigotes de y PCR para ADN de <i>Leishmania</i>.</p>	<p>La provincia aportó el 10% de los casos nacionales anuales (2018–2021). Demografía: 11–19 años (46,25%) y 20–39 años (36,40%), 62,53% masculinos, 81,79% procedencia rural-periurbana. 81,80% con cura total. 22% abandono de terapia (tratamiento estándar: antimoniato de meglumina).</p>
--	-------------	--	-------------------------------	---	---	----------------	---	--

Anemia, estado nutricional y parasitosis intestinales en niños de hogares de Guayas.	2022	Determinar anemia, estado nutricional y parásitos intestinales en preescolares de Taura.	<i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Giardia intestinalis</i> .	Taura, Naranjal, Guayas.	Heces.	Humano.	Examen directo con solución salina fisiológica y Lugol. Flotación en sal saturada.	Parasitosis general: 67,82% (59/87). Anemia global: 24,14% (21/87). Asociaciones: los parasitados presentaron más anemia (85,71% de los anémicos estaban parasitados: $p < 0,05$) y mayor retardo en talla/delgadez ($p < 0,05$) vs no parasitados. Especies frecuentes: <i>E. histolytica</i> 29,89% (26/76), <i>Giardia intestinalis</i> 10,34% (9/76).
--	------	--	--	--------------------------	--------	---------	--	--

<p>Estudio de la neosporosis en bovinos de la provincia de Chimborazo, Ecuador.</p>	<p>2022</p>	<p>Determinar seroprevalencia, mecanismos de infección y pérdidas económicas por <i>Neospora caninum</i> en fincas de Chimborazo.</p>	<p><i>Neospora caninum</i>.</p>	<p>Chimborazo (cantones Riobamba, Guano, Chambo, Penipe).</p>	<p>Suero.</p>	<p>Ganado bovino y perros.</p>	<p>ELISA comercial anti-<i>N. caninum</i>.</p>	<p>Seroprevalencia bovina: 55,6% (93/170). Perros seropositivos: 7/7 (100%).</p>
---	-------------	---	---------------------------------	---	---------------	--------------------------------	--	--

Parasitosis intestinales y medidas antropométricas en preescolares del cantón de Portoviejo, Ecuador.	2022	Estimar prevalencia de enteroparásitos y evaluar diferencias antropométricas en escolares de Portoviejo.	<i>Blastocystis</i> spp., <i>Endolimax nana</i> , <i>Giardia intestinalis</i> , <i>Entamoeba histolytica/dispar</i> .	Portoviejo, Manabí.	Heces.	Humano.	Solución salina 0,9% y Lugol (directo) y Kato-Katz.	Prevalencia general: 62,54% (177/283). Predominio de protozoarios: 93,66% de los positivos vs helmintos 6,34%; poliparasitismo en 83 casos (56,85%). Especies frecuentes: <i>Blastocystis</i> spp. 47,89%, <i>Endolimax nana</i> 21,83%, <i>Giardia intestinalis</i> 12,68%, <i>E. histolytica/dispar</i> 4,23%.
---	------	--	---	---------------------	--------	---------	---	--

<p>Natural infection of <i>Trypanosoma</i> sp. in domestic sheep from Ecuador.</p>	<p>2022</p>	<p>Determinar la ocurrencia de <i>Trypanosoma</i> sp. y coinfecciones en ovinos de Salitre y describir signos clínicos, abortos, mortalidad y valores hematológicos.</p>	<p><i>Trypanosoma</i> sp.</p>	<p>Salitre (Guayas).</p>	<p>Sangre.</p>	<p>Ovinos.</p>	<p>Giemsa, Diff-Quick, microscopía 100×.</p>	<p><i>Trypanosoma</i> sp. 20% (34/170). Clínica: 25/34 positivos sintomáticos. 3 abortos y 8 muertes.</p>
--	-------------	--	-------------------------------	--------------------------	----------------	----------------	--	---

Prevalencia de parasitosis intestinal en escolares de zonas semirurales de Ecuador II.	2022	Estimar prevalencia y factores asociados en escolares de zonas semi rurales.	<i>Blastocystis</i> sp., <i>Complejo Entamoeba</i> , <i>Giardia lamblia</i> y <i>Endolimax nana</i> .	Zonas semi rurales de Ecuador (no especifica).	Heces.	Humano.	Microscopía directa.	Prevalencia global: 20% (81/399). Frecuencias (sobre 399): <i>Blastocystis</i> 10% (41), <i>E. nana</i> 3,75% (15), <i>Complejo Entamoeba</i> 2,5% (10), <i>Giardia</i> 0,75%.
--	------	--	---	--	--------	---------	----------------------	--

<p>Quality of life of cutaneous leishmaniasis suspected patients in the Ecuadorian Pacific and Amazon regions: a cross sectional study.</p>	<p>2022</p>	<p>Explorar el impacto de las lesiones sospechosas de LC en la calidad de vida y sus determinantes en Amazonía y Pacífico ecuatorianos.</p>	<p><i>Leishmania</i> spp.</p>	<p>Ecuador - Napo, Pastaza, Morona Santiago (Amazonía) y Pichincha (Pacífico).</p>	<p>Lesión cutánea.</p>	<p>Humanos.</p>	<p>Microscopía de frotis de lesión; PCR para <i>Leishmania</i>.</p>	<p>Peor Calidad de Vida Relacionada con la Salud (índice derivado) en la Amazonía que en el Pacífico. Demora en búsqueda de atención <1 mes: 66% Pacífico vs 38% Amazonía.</p>
---	-------------	---	-------------------------------	--	------------------------	-----------------	---	---

Resolving drug selection and migration in an inbred South American <i>Plasmodium falciparum</i> population with identity-by-descent analysis.	2022	Describir estructura clonal y conectividad Colombia–Ecuador asociada a <i>P. falciparum</i> .	<i>Plasmodium falciparum</i> .	Esmeraldas, San Lorenzo.	Sangre.	Humanos.	Amplificación selectiva del genoma, WGS.	Ecuador mostró alta consanguinidad/clonalidad (mediana IBD 0,76), influida por un brote en Esmeraldas dominado por un clon.
---	------	---	--------------------------------	--------------------------	---------	----------	--	---

<p>Epidemiology of giardiasis and assemblages A and B and effects on diarrhea and growth trajectories during the first 8 years of life: Analysis of a birth cohort in a rural district in tropical Ecuador.</p>	<p>2023</p>	<p>Analizar la epidemiología de infecciones por <i>Giardia lamblia</i> y los efectos de sus ensamblajes A y B en el riesgo de diarrea y en las trayectorias de crecimiento durante los primeros 8 años de vida de una cohorte de nacimiento en una región rural tropical de Ecuador.</p>	<p><i>Giardia lamblia</i> (ensamblajes A y B).</p>	<p>Distrito rural de Quinindé, provincia de Esmeraldas.</p>	<p>Heces.</p>	<p>Humano.</p>	<p>PCR cuantitativa para detección de <i>G. lamblia</i>, ensayos SNP de TaqMan y secuenciación del 18S rRNA para tipificación de ensamblajes.</p>	<p>Se observó una alta endemicidad de infección por <i>G. lamblia</i> en niños, con un 79.7% de infectados al menos una vez en el transcurso de los primeros 8 años de vida, siendo el ensamblaje B el más prevalente (56.8% de las infecciones tipificadas). La infección se asoció con un aumento en el riesgo de diarrea durante los primeros 3 años y un efecto transitorio en el peso y la estatura entre el primer y cuarto año de vida.</p>
---	-------------	--	--	---	---------------	----------------	---	--

<p>Prevalence of <i>Toxoplasma gondii</i> in Galapagos birds: Inference of risk factors associated with diet.</p>	<p>2023</p>	<p>Evaluar la prevalencia de anticuerpos contra <i>Toxoplasma gondii</i> en aves silvestres de las Galápagos y analizar los factores de riesgo asociados con sus hábitos alimenticios para entender las rutas de transmisión del parásito.</p>	<p><i>Toxoplasma gondii</i>.</p>	<p>Islas Galápagos, Ecuador (incluyendo la isla Santa Cruz y otras islas circundantes sin gatos, como Daphne Major, Seymour Norte y Plaza Sur).</p>	<p>Plasma sanguíneo.</p>	<p>Aves silvestres (especies terrestres y marinas).</p>	<p>Prueba de aglutinación modificada (MAT) para detección de anticuerpos contra <i>T. gondii</i>.</p>	<p>La prevalencia de anticuerpos contra <i>T. gondii</i> fue del 29.31% en aves terrestres y del 18.18% en aves marinas. Las aves con hábitos carnívoros ocasionales mostraron una prevalencia más alta (63.43%) en comparación con granívoros-insectívoros (26.22%) y piscívoros estrictos (14.62%). La exposición al parásito parece estar asociada al consumo de quistes en tejidos o ingestión de plantas e insectos contaminados con ooquistes.</p>
---	-------------	--	----------------------------------	---	--------------------------	---	---	--

<p><i>Leishmania</i> species and clinical characteristics of Pacific and Amazon cutaneous leishmaniasis in Ecuador and determinants of health-seeking delay: a cross-sectional study.</p>	<p>2023</p>	<p>Describir las especies de <i>Leishmania</i> presentes en las regiones del Pacífico y la Amazonía de Ecuador, analizar las diferencias regionales en la presentación clínica de la leishmaniasis cutánea (LC) y determinar los factores que influyen en el retraso para buscar atención médica.</p>	<p><i>Leishmania guyanensis</i>, <i>Leishmania braziliensis</i>, <i>Leishmania lainsoni</i>.</p>	<p>Región Pacífica (provincia de Pichincha) y Región Amazónica (provincias de Napo, Pastaza y Morona Santiago).</p>	<p>Lesiones cutáneas.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Microscopía con frotis teñidos con Giemsa, PCR en tiempo real (qPCR), secuenciación del gen citocromo B.</p>	<p>Se incluyeron 245 pacientes; la mayoría de los casos del Pacífico presentaron <i>L. guyanensis</i> (94%), mientras que en la Amazonía se encontró una distribución más equitativa entre <i>L. guyanensis</i> (46%) y <i>L. braziliensis</i> (41%). El retraso en buscar atención médica fue significativamente mayor en la Amazonía, asociado con mayor edad, etnicidad amerindia, y lesiones no ulcerativas, entre otros factores.</p>
---	-------------	---	--	---	---------------------------	----------------	---	--

<p>Prevalence and associated risk factors of intestinal parasites among schoolchildren in Ecuador, with emphasis on the molecular diversity of <i>Giardia duodenalis</i>, <i>Blastocystis</i> sp. and <i>Enterocytozoon bieneusi</i>.</p>	<p>2023</p>	<p>Investigar la prevalencia de infecciones por helmintos intestinales y protistas gastrointestinales (GP) en escolares de las provincias de Chimborazo y Guayas, Ecuador, y analizar factores de riesgo asociados.</p>	<p><i>Giardia duodenalis</i> y <i>Blastocystis</i> sp.</p>	<p>Municipios de Penipe y Pallatanga (provincia de Chimborazo) y General Antonio Elizalde (GAE, provincia de Guayas).</p>	<p>Heces.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Microscopía convencional, técnicas moleculares (PCR y secuenciación Sanger).</p>	<p>Se detectó al menos un parásito intestinal en el 63.2% de los escolares mediante microscopía, siendo los más prevalentes <i>Enterobius vermicularis</i> (16.7%) y <i>Blastocystis</i> sp. (39.2%). Mediante técnicas moleculares, se observaron diferencias en la prevalencia, destacando <i>Giardia duodenalis</i> (26.6%) como el protista más común. Factores de riesgo asociados incluyeron el hacinamiento, el consumo de agua insegura y prácticas de higiene deficiente.</p>
---	-------------	---	--	---	---------------	----------------	---	--

<p>A Case of <i>Urbanorum</i> spp. in a Woman from an Urban-Marginal Sector of Ecuador.</p>	<p>2023</p>	<p>Reportar un caso de infección por <i>Urbanorum</i> spp. en una mujer ecuatoriana y discutir la relevancia del parásito como un posible problema de salud pública, dado el contexto ambiental y sanitario del país.</p>	<p><i>Urbanorum</i> spp. (protozoario potencial).</p>	<p>Guayaquil, Ecuador (sector urbano-marginal de la cooperativa Balerio Estacio).</p>	<p>Heces.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Análisis coproparasitológico directo y método de sedimentación con tinción de Lugol, examen microscópico.</p>	<p>Se observó una estructura redondeada con pseudópodos en la muestra fecal, identificada como <i>Urbanorum</i> spp. La paciente presentó síntomas como diarrea, fiebre y malestar abdominal. Tras el diagnóstico, se administró metronidazol, mejorando la condición clínica. El caso destaca la necesidad de estudios adicionales para confirmar la etiología, ciclo de vida y la epidemiología de <i>Urbanorum</i> spp. y su impacto potencial en la salud pública de Ecuador.</p>
---	-------------	---	---	---	---------------	----------------	--	---

<p>Diagnostic accuracy of qPCR and microscopy for cutaneous leishmaniasis in rural Ecuador: A Bayesian latent class analysis.</p>	<p>2023</p>	<p>Comparar la precisión diagnóstica de qPCR en muestras de ADN extraídas de papel filtro con la precisión de la microscopía directa para diagnosticar la leishmaniasis cutánea (LC) en pacientes con lesiones cutáneas sospechosas en centros rurales de salud de la región Amazónica y del Pacífico de Ecuador.</p>	<p><i>Leishmania</i> spp.</p>	<p>Regiones rurales de la Amazonía y el Pacífico (Pichincha, Napo, Pastaza y Morona Santiago).</p>	<p>Lesiones cutáneas.</p>	<p>Humano.</p>	<p>Microscopía con frotis teñidos con Giemsa, qPCR con ADN extraído de papel filtro.</p>	<p>La sensibilidad del qPCR fue del 68% en la Amazonía y del 73% en el Pacífico, mientras que la microscopía mostró una sensibilidad del 51% y 76% respectivamente. La especificidad fue alta para ambos métodos (97% para qPCR y 99% para microscopía). Se encontró que la adición del qPCR mejoró la detección de casos en la región Amazónica.</p>
---	-------------	---	-------------------------------	--	---------------------------	----------------	--	---

<p>Acute Phase Proteins in Dogs with Natural Infection by <i>Trypanosoma cruzi</i>.</p>	<p>2023</p>	<p>Evaluar las concentraciones de proteínas de fase aguda (PFA) en perros con infección natural por <i>Trypanosoma cruzi</i> en una comunidad costera de Ecuador, para entender su uso potencial como herramientas diagnósticas, de monitoreo y pronóstico de la enfermedad de Chagas.</p>	<p><i>Trypanosoma cruzi</i>.</p>	<p>Colon y Calderón, comunidades urbanas de Portoviejo, provincia de Manabí.</p>	<p>Sangre.</p>	<p>Perros domésticos.</p>	<p>Ensayos ELISA para detección de anticuerpos contra <i>T. cruzi</i> y pruebas rápidas IDEXX SNAP® 4Dx® para detección de anticuerpos contra otras enfermedades transmitidas por vectores; análisis de concentraciones de PFA (proteína C reactiva, haptoglobina, ferritina, paraoxonasa-1).</p>	<p>Se observó una reducción significativa en los niveles séricos de paraoxonasa-1 en perros seroreactivos a <i>T. cruzi</i>, lo que sugiere una posible respuesta de estrés oxidativo. La concentración de ferritina fue mayor en perros con serorreactividad a <i>T. cruzi</i> y otras enfermedades transmitidas por vectores, mientras que no hubo diferencias significativas en las concentraciones de proteína C reactiva ni haptoglobina. Estos resultados resaltan el potencial de las PFA como indicadores en infecciones por <i>T. cruzi</i> y coinfecciones asociadas.</p>
---	-------------	--	----------------------------------	--	----------------	---------------------------	---	---

Toxoplasmosis in jungle dog (speothos venaticus): case study.	2023	Describir un caso de toxoplasmosis en perro de monte (<i>Speothos venaticus</i>) cautivo de un Centro de Rescate.	<i>Toxoplasma gondii</i> .	Amazonía ecuatoriana (no describe procedencia exacta).	Sangre.	Cánido silvestre - perro de monte (<i>Speothos venaticus</i>).	Serología IgG/IgM anti- <i>Toxoplasma</i> (método no especificado).	IgG/IgM elevadas compatibles con infección activa; hemoparásitos negativos; leucocitosis neutrofílica ($\sim 14,97 \times 10^9/L$), Hto 50%, hiperglicemia leve (166 mg/dL). Respuesta clínica favorable con clindamicina 10 mg/kg IV q12h más soporte (O ₂ , NAC, vitamina C, fluidos): mejoría a 24 h, alta a 48 h, asintomático a los 8 días.
Prevalencia de protozoarios intestinales y factores asociados en niños de unidad educativa ecuatoriana en 2021.	2023	Estimar la prevalencia de protozoarios intestinales y factores asociados en niños de una Unidad Educativa de Tungurahua (2021).	<i>Giardia lamblia</i> y <i>Entamoeba histolytica</i> .	Provincia de Tungurahua.	Heces.	Humano.	Examen coproparasitario con identificación microscópica.	Prevalencia global 54% (61/114). 47,4% nunca había sido desparasitado; 19,3% desparasitado en los últimos 6 meses.

Prevalencia de parasitosis y su influencia en la microbiota intestinal de niños escolares de comunidades rurales de la provincia de Chimborazo, Ecuador.	2023	Estimar prevalencia de parasitosis y su influencia en la microbiota intestinal en escolares rurales.	<i>Entamoeba histolytica</i> y <i>Giardia lamblia</i> .	Comunidades rurales de Chimborazo.	Heces.	Humano.	Examen directo. Willis en submuestra. Next Generation Sequencing (NGS) para microbiota (no detallado).	Prevalencia general 44,32%. Factores de riesgo: contacto con mascotas, deficiencias de saneamiento/higiene y recolección de basura; microbiota en casos analizados: <i>Prevotellaceae</i> 55%, Proteobacteria 47%, Firmicutes 27%, Treponema 17%.
New Primers for Detection and Differentiation between <i>Leishmania viannia</i> and <i>L. leishmania</i> Subgenera by PCR.	2023	Desarrollar/estandarizar PCR que diferencie subgéneros (<i>Viannia</i> vs <i>Leishmania</i>) y validarla en muestras clínicas de Ecuador.	<i>Leishmania</i> spp.	Amazonía ecuatoriana.	Raspados dérmicos.	Humano.	Frotis Giemsa. PCR (cpb y nagA).	15/16 muestras clasificadas como <i>Viannia</i> y 1/16 <i>Leishmania</i> . Una sola reacción distingue subgéneros. Posible detección de coinfecciones.

Parasitosis intestinales en niños del cantón Ambato, Ecuador.	2023	Estimar la prevalencia de parasitosis intestinal en niños 5 - 9 años.	<i>Blastocystis</i> spp., complejo <i>Entamoeba histolytica/dispar/moshkovskii</i> , <i>Giardia lamblia</i> .	Parroquia Totoras, cantón Ambato, Tungurahua.	Heces.	Humano.	Examen directo y técnica de flotación de Willis.	Prevalencia 77,1%, poliparasitismo 77%, protozoarios 91,7% vs helmintos 8,3%, <i>Blastocystis</i> 47,06%, <i>E. coli</i> 32,03%, <i>Endolimax nana</i> 28,10%, complejo <i>Entamoeba</i> 20,92%, <i>Giardia lamblia</i> 4,58%.
Molecular epidemiology of continued <i>Plasmodium falciparum</i> disease transmission after an outbreak in Ecuador.	2023	Describir diversidad de <i>P. falciparum</i> tras un brote y distinguir transmisión local vs importada.	<i>Plasmodium falciparum</i> .	Esmeraldas: Esmeraldas (ciudad) y San Lorenzo. Sucumbíos: Cascales. Carchi: Tobar Donoso. Orellana.	Sangre.	Humanos.	PCR de dominios DBL α de genes var con cebadores degenerados. Secuenciación de amplicones.	9 “var codes” en 58 aislados. 4 muy relacionados con el clon del brote. Evidencia de recombinación. La mayoría de casos indicaron transmisión local (reservorios locales).

Características clínicas y epidemiológicas de pacientes con leishmaniosis cutánea en el cantón Santa Ana, Ecuador.	2023	Describir características clínicas y epidemiológicas de leishmaniosis cutánea en la parroquia Honorato Vásquez.	<i>Leishmania</i> sp.	Parroquia Honorato Vásquez, cantón Santa Ana, provincia de Manabí.	Lesiones cutáneas.	Humano.	Microscopia óptica en frotis por aposición.	n=25. Predominio masculino (60%), edad promedio 38 años. Miembros inferiores sitio más frecuente. Lesiones únicas en 73.3% y dolor 68%.
Genetic diversity and natural selection of <i>Plasmodium vivax</i> reticulocyte invasion genes in Ecuador.	2023	Determinar la diversidad alélica y la influencia de la selección natural en cuatro genes de invasión de <i>P. vivax</i> (pvmsp-1-19, pvdbpII, pvrpb1a-2, pvama1).	<i>Plasmodium vivax</i> .	Costa, Amazonía occidental y Amazonía oriental.	Sangre.	Humano.	PCR para amplificación de fragmentos génicos y secuenciación; análisis de polimorfismos/haplotipos.	Alta diversidad en pvdbpII/pvrpb1a-2/pvama1. Mayor diversidad haplotípica en Amazonía (oriental > occidental) y diferenciación marcada entre Costa vs. Amazonía.

Case report: First report on human infection by tick-borne <i>Babesia bigemina</i> in the Amazon region of Ecuador.	2023	Describir y confirmar el primer caso humano por <i>B. bigemina</i> en la Amazonía ecuatoriana.	<i>Babesia bigemina</i> .	Región Amazónica del Ecuador (Orellana).	Sangre.	Humano.	Nested-PCR dirigida al 18S rRNA y secuenciación.	Confirmación molecular de <i>B. bigemina</i> . Tratamiento con quinina y clindamicina por 6 semanas. Sin recaídas a 12 meses.
Molecular identification of <i>Trypanosoma theileri</i> (Laveran, 1902) in cattle from two slaughterhouses in Ecuador and its relation with other haemotropic agents.	2023	Identificar molecularmente la presencia de <i>Trypanosoma theileri</i> en ganado bovino de dos mataderos en Ecuador y analizar su relación con otros agentes hemotrópicos, destacando la prevalencia y distribución de linajes y coinfecciones.	<i>Trypanosoma theileri</i> y <i>Trypanosoma vivax</i> .	Mataderos de Quito (provincia de Pichincha) y Santo Domingo de los Tsáchilas.	Sangre.	Ganado bovino.	PCR específica de dominio catalítico tipo cathepsina L (CATL), PCR anidada para regiones ITS del gen 18S, secuenciación y análisis filogenético.	La prevalencia global de <i>T. theileri</i> fue del 15.6%, siendo más alta en el matadero de Quito (24.1%) que en el de Santo Domingo (10.4%). Los análisis filogenéticos revelaron la presencia de linajes TthI y TthII, con coinfecciones frecuentes con otros agentes hemotrópicos como <i>Anaplasma marginale</i> y <i>Trypanosoma vivax</i> . El estudio destaca la relevancia de la

